Библиотека

В нашей библиотеке Вы найдете оригиналы публикаций – и тех, на которые мы ссылаемся на сайте, и многих других, которые могут пригодиться для синтеза наук об этногенезе. Приносим извинения – пока в библиотеке в основном заполнен лишь раздел по геногеографии. Помогите нам заполнить остальные. А мы вскоре завершим удобную программную оболочку библиотеки с дружественным интерфейсом, который позволит легко находить публикации по самым разным заданным Вами параметрам.

Монографии
Статьи

МОНОГРАФИИ

Балановская Е.В., Балановский О.П. **Глава «Популяционная генетика человека». //** Наследственные болезни: национальное руководство / под ред. акад. РАМН Е.К. Гинтера, акад. РАМН В.П. Пузырева. М.: ГЭОТАР-Медиа. С. 199-243.

Балановская Е.В., Балановский О.П.. **«Русский генофонд на Русской равнине». //** М.: Луч, 2007. Ссылка

Балановский О.П. **«Генофонд Европы».//** М.: Товарищество научных изданий КМК, 2015. Файл

«Восточные славяне. Антропология и этническая история». // Под ред. Т.И. Алексеевой. Москва: Научный мир, 1999 (второе издание – 2002).

«Генофонд и геногеография народонаселения». Т.1. Генофонд населения России и сопредельных стран. // Под ред. Ю.Г. Рычкова. С-Пб.: Наука, 2000.

Критика расизма в современной России и научный взгляд на проблему этнокультурного многообразия. – М.: Московское бюро по правам человека, “Academia”, 2008. – 124 с. Критика расизма

Лимборская С.А., Хуснутдинова Э.К., Балановская Е.В. **«Этногеномика и геногеография народов Восточной Европы». //** М.: Наука, 2002.

«Наследственные болезни и генетическая структура населения». // Под ред. Е.К. Гинтера. М.: Медицина, 2002.

«Проблема расы в российской физической антропологии». // Под ред. Т.И. Алексеевой, Л.Т. Яблонского. М.: Инт-т этнологии и антропологии РАН, 2002.

Напольских В.В. Очерки по этнической истории. Казань, 2015 Напольских В В Очерки по этнической истории

СТАТЬИ

Andrews RM, Kubacka I, Chinnery PF, Lightowlers RN, Turnbull DM, Howell N. **Reanalysis and revision of the Cambridge reference sequence for human mitochondrial DNA. //** Nat Genet. 1999 Oct; 23(2):147. Файл

Antonio ML *et al.* **Ancient Rome: A genetic crossroads of Europe and the Mediterranean //** Science. 2019 Nov 8;366(6466):708-714. doi: 10.1126/science.aay6826 https://science.sciencemag.org/content/366/6466/708

Aude Saint Pierre et al. **The genetic history of France //** European Journal of Human Genetics. 2020. https://doi.org/10.1038/s41431-020-0584-1 Файл

Balanovsky O.P., Buzhilova A.P., Balanovskaya E.V. **The Russian Gene Pool: Gene Geography of Surnames. //** Russian Journal of Genetics, Vol. 37, No. 7, 2001, pp. 807–822. Translated from Genetika, Vol. 37, No. 7, 2001, pp. 974–990. Файл

Balanovsky O, Pocheshkhova E, Pshenichnov A, Solovieva D, Kuznetsova M, Voronko O, Churnosov M, Tegako O, Atramentova L,

Lavryashina M, Evseeva I, Borinska S, Boldyreva M, Dubova N, Balanovska E. **Is spatial distribution of the HIV-1-resistant CCR5Delta32 allele formed by ecological factors? //** J Physiol Anthropol Appl Human Sci. 2005 Jul;24(4):375-82. Файл

Balanovsky O., Rootsi S., Pshenichnov A., Kivisild T., Churnosov M., Evseeva I., Pocheshkhova E., Boldyreva M., Yankovsky N., Balanovska E., Villems R. **Two sources of the Russian patrilineal heritage in their Eurasian context. //** Am J Hum Genet. 2008 Jan;82(1). P. 236-50. Файл

Balanovsky O.P. **European prehistory in mirror of genetics: a contemporary view. //** The Russian Journal of Genetic Genealogy: Vol 1, №1, 2009. Файл

Balanovsky O., Dibirova Kh., Dybo A., Mudrak O., Frolova S., E. Pocheshkhova, Haber M., Platt D., Schurr T., Haak W., Kuznetsova M., Radzhabov M., Balaganskaya O., Romanov A., Zakharova T., Baranova E., Hernanz D. F. S., Zalloua P., Koshel S., Ruhlen M., Renfrew C., Wells R. S., Tyler-Smith Ch., Balanovska E., The Genographic Consortium. **Parallel Evolution of Genes and Languages in the Caucasus Region. //** Molecular biology and evolution. 2011. Oct. V.28(10). P 2905-2920. Файл

Balanovsky O., Gurianov V., Zaporozhchenko V.,Balaganskaya O., Urasin V., Zhabagin M., Grugni V., Canada R., Al-Zahery N., Raveane A., Wei R.,Yan S., Wang X., Zalloua P., Marafi A., Koshel S., Semino O., Tyler-Smith C., Balanovska E. **Phylogeography of human Y-chromosome haplogroup Q3-L275 collaboration //** BMC Evolutionary Biology. 2017. V.17. Suppl 1. P.18.DOI 10.1186/s12862-016-0870-2 Файл

Balanovsky O., Chukhryaeva M., ZaporozhchenkoV., UrasinV., ZhabaginM., HovhannisyanA., AgdzhoyanA., DibirovaK.,KuznetsovaM.,KoshelS., PocheshkhovaE., AlborovaI., SkhalyakhoR.,UtevskaO., TheGenographicConsortium, MustafinKh., YepiskoposyanL., Tyler-SmithC., BalanovskaE. **Genetic differentiation between upland and lowland populations shapes the Y-chromosomal landscape of West Asia// Human Genetics**, 2017, V. 136, Issue 4, pp 437–450. doi:10.1007/s00439-017-1770-2

Balanovsky O. **Toward a consensus on SNP and STR mutation rates on the human Y-chromosome //** Hum Genet. 2017. V.136. Issue 5. P. 575-590. Published online: 27 April 2017 DOI: 10.1007/s00439-017-1805-8.

Bandelt HJ, Lahermo P, Richards M, Macaulay V. **Detecting errors in mtDNA data by phylogenetic analysis. //** Int J Legal Med. 2001 Oct; 115(2):64-9. Файл

Barbujani G, Bertorelle G. **Genetics and the population history of Europe. //** Proc Natl Acad Sci U S A. 2001 Jan 2;98(1):22-5. Файл

Behar DM, Metspalu E, Kivisild T, Achilli A, Hadid Y, Tzur S, Pereira L, Amorim A, Quintana-Murci L, Majamaa K, Herrnstadt C, Howell N, Balanovsky O, Kutuev I, Pshenichnov A, Gurwitz D, Bonne-Tamir B, Torroni A, Villems R, Skorecki K. **The matrilineal ancestry of Ashkenazi Jewry: portrait of a recent founder event. //** Am J Hum Genet. 2006 Mar;78(3):487-97. Epub 2006 Jan 11. Файл

Behar DM, Rosset S, Blue-Smith J, Balanovsky O, Tzur S, Comas D, Mitchell RJ, Quintana-Murci L, Tyler-Smith C, Wells RS; Genographic Consortium. **The Genographic project public participation mitochondrial DNA database. //** PLoS Genet. 2007. Jun. 3(6) P. e104. Erratum in: PLoS Genet. 2007. Sep. 14. 3(9). P. 178. Файл

Behar D., Blue-Smith J., Soria-Hernanz D., Tzur S., Hadid Y., Bormans C., Moen A., Tyler-Smith C., Quintana-Murci L., Wells S. The Genographic Consortiumy. **A Novel 154-bp Deletion in the Human Mitochondrial DNA Control Region in Healthy Individuals. //** Human Mutation. 2008. Dec;29(12):1387-91. Файл

Behar D.M., Villems R., Soodyall H., Blue-Smith J., Pereira L., Metspalu E., Scozzari R., Makkan H., Tzur S., Comas D., Bertranpetit J., Quintana-Murci L., Tyler-Smith C., Wells R.S., Rosset S., Schurr T.G., Santos F.R., Quintana-Murci L., Bertranpetit J., Comas D., Tyler-Smith C., Balanovska E., Balanovsky O., Behar D.M., Mitchell R.J., Soodyall H., Pitchappan R., Cooper A., Royyuru A.K., Rosset S., Parida L., Blue-Smith J., Hernanz D.S., Wells R.S. **The dawn of human matrilineal diversity. //** Am J Hum Genet., 2008 May, 82(5), pp.1130-40, Epub 2008 Apr. 24. Файл

Behar D.M., Yunusbayev B., Metspalu M., Metspalu E., Rosset S., Parik J., Rootsi S., Chaubey G., Kutuev I., Yudkovsky G., Khusnutdinova E.K., Balanovsky O., Semino O., Pereira L., Comas D., Gurwitz D., Bonne-Tamir B., Parfitt T., Hammer M.F., Skorecki K., Villems R. **The genome-wide structure of the Jewish people. //** Nature. 2010. Jul. 8;466(7303). P. 238-242. Ссылка

Behar D.M., Harmant C., Manry J., van Oven M., Haak W., Martinez-Cruz B., Salaberria J., Oyharçabal B., Bauduer F., Comas D., Quintana-Murci L., The Genographic Consortium. **The Basque Paradigm: Genetic Evidence of a Maternal Continuity in the Franco-Cantabrian Region since Pre-Neolithic Times. //** Am J Hum Genet. 2012. Mar 9. 90(3). P. 486-493. Файл

Belyaeva O, Bermisheva M, Khrunin A, Slominsky P, Bebyakova N, Khusnutdinova E, Mikulich A, Limborska S. **Mitochondrial DNA**

variations in Russian and Belorussian populations. // Hum Biol. 2003 Oct;75(5):647-60. Файл

Bergström A., Stringer C., Hajdinjak M., Scerri E. & Skoglund P. **Origins of modern human ancestry** // *Nature* volume 590, pages229–237(2021) https://doi.org/10.1038/s41586-021-03244-5 Файл

Bermisheva M, Tambets K, Villems R, Khusnutdinova E. **Diversity of mitochondrial DNA haplotypes in ethnic populations of the Volga-Ural region of Russia** // Mol Biol (Mosk). 2002 Nov-Dec;36(6):990-1001. Файл

Bermisheva MA, Kutuev IA, Korshunova TIu, Dubova NA, Villems R, Khusnutdinova EK. **Phylogeografic analysis of mitochondrial DNA Nogays: the high level of mixture of maternal lineages from Eastern and Western Eurasia** // Mol Biol (Mosk). 2004 Jul-Aug;38(4):617-24. Файл

Bermisheva MA, Kutuev IA, Spitsyn VA, Villems R, Batyrova AZ, Korshunova TIu, Khusnutdinova EK. **Analysis of mitochondrial DNA variation in the population of Oroks** // Genetika. 2005 Jan;41(1):78-84. Файл

Besenbacher S., Hvilsom C., Marques-Bonet T., Mailund T. and Heide Schierup M. **Direct estimation of mutations in great apes reconciles phylogenetic dating** // Nature Ecology & Evolution. 2019. Файл

Brandt G., Haak W., Adler C.J., Roth C., Szecsenyi-Nagy A., Karimnia S., Moller-Rieker S., Meller H., Ganslmeier R., Friederich S., Dresely V., Nicklisch N., Pickrell J.K.,Sirocko F., Reich D., Cooper A., Alt K.W.; Genographic Consortium. **Ancient DNA reveals key stages in the formation of central European mitochondrial genetic diversity.** // Science. 2013. Oct 11.; V.342(6155). P.257-261 Ссылка

Brunel Samantha et al. **Ancient genomes from present-day France unveil 7,000 years of its demographic history** // PNAS first published May 26, 2020 https://doi.org/10.1073/pnas.1918034117

Файл

Boulygina Eugenia et al. **Mitochondrial and Y-chromosome diversity of the prehistoric Koban culture of the North Caucasus** // Journal of Archaeological Science: Reports. Volume 31, June 2020, 102357 https://doi.org/10.1016/j.jasrep.2020.102357

Файл

Bonfante Betty et al. A GWAS in Latin Americans identifies novel face shape loci, implicating VPS13B and a Denisovan introgressed region in facial variation // Science Advances. 2021; 7 : eabc6160 5 February 2021 DOI: 10.1126/sciadv.abc6160 https://advances.sciencemag.org/content/7/6/eabc6160

Bulayeva K, Jorde LB, Ostler C, Watkins S, Bulayev O, Harpending H. **Genetics and population history of Caucasus populations.** // Hum Biol. 2003 Dec;75(6):837-53. Файл

Burger J. et al. **Low Prevalence of Lactase Persistence in Bronze Age Europe Indicates Ongoing Strong Selection over the Last 4,000 Years** // Current Biology, 2020, 30, 1–9 https://doi.org/10.1016/j.cub.2020.08.03

Файл

Cai X., Qin Z., Wen B., Xu S., Wang Y., Li S., Jin L., Li H., the Genographic Consortium. **Human Migration through Bottlenecks from Southeast Asia into East Asia during Last Glacial Maximum Revealed by Y Chromosomes** // PLoS One. 2011 Aug; 6(8):e24282. Файл

Cavalli-Sforza LL. **The DNA revolution in population genetics.** // Trends Genet. 1998 Feb; 14(2):60-5. Файл

Chistiakov DA, Seryogin Y, Savost'anov KV, Zilberman LI, Titovich EV, Kuraeva TL, Dedov II, Nosikov VV. **Evidence for a type 1 diabetes susceptibility locus (IDDM10) on chromosome 10p11-q11 in a Russian population.** // Scand J Immunol. 2004 Sep;60(3):316-23. Файл

Cilli E, Sarno S, Gnecchi Ruscone GA, Serventi P, De Fanti S, Delaini P, Ognibene P, Basello GP, Ravegnini G, Angelini S, Ferri G, Gentilini D, Di Blasio AM, Pelotti S, Pettener D, Sazzini M, Panaino A, Luiselli D, Gruppioni G. **The genetic legacy of the Yaghnobis: A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshuffled central Asian gene pool** // Am J Phys Anthropol. 2019 Apr;168(4):717-728. doi: 10.1002/ajpa.23789. Epub 2019 Jan 29. Файл

Chengzhen L. Dai et al. **Population Histories of the United States Revealed through Fine-Scale Migration and Haplotype Analysis** // The American Journal of Human Genetics 106, 371–388, March 5, 2020 https://doi.org/10.1016/j.ajhg.2020.02.002

COVID-19 Host Genetics Initiative. Mapping the human genetic architecture of COVID-19 // *Nature* https://doi.org/10.1038/s41586-021-03767-x (2021). Файл

Derbeneva OA, Starikovskaia EB, Volod'ko NV, Wallace DC, Sukernik RI. **Mitochondrial DNA variation in Kets and Nganasans and the early peoples of Northern Eurasia** // Genetika. 2002 Nov;38(11):1554-60. Файл

Derbeneva OA, Sukernik RI, Volodko NV, Hosseini SH, Lott MT, Wallace DC. **Analysis of mitochondrial DNA diversity in the aleuts of the commander islands and its implications for the genetic history of beringia.** // Am J Hum Genet. 2002 Aug;71(2):415-21. Epub 2002 Jun 25. Файл

Derbeneva OA, Starikovskaya EB, Wallace DC, Sukernik RI. **Traces of early Eurasians in the Mansi of northwest Siberia revealed by mitochondrial DNA analysis.** // Am J Hum Genet. 2002 Apr;70(4):1009-14. Epub 2002 Feb 13. Файл

Derenko MV, Grzybowski T, Malyarchuk BA, Czarny J, Miścicka-Sliwka D, Zakharov IA. **The presence of mitochondrial haplogroup x in Altaians from South Siberia.** // Am J Hum Genet. 2001 Jul;69(1):237-41. Файл

Derenko MV, Malyarchuk BA, Denisova GA, Dambueva IK, Kakpakov VT, Dorzhu ChM, Luzina FA, Lotosh EA, Ondar UN, Kaplina MI, Zakharov IA. **Molecular genetic differentiation of ethnic populations in Southern and Eastern Siberia based on mitochondrial DNA polymorphism** // Genetika. 2002 Oct;38(10):1409-16. Файл

Derenko MV, Malyarchuk BA, Zakharov IA. **Origin of caucasoid-specific mitochondrial DNA lineages in the ethnic populations of the Altai-Sayan region** // Genetika. 2002 Sep;38(9):1292-7. Файл

Derenko MV1, Malyarchuk BA, Denisova GA, Dorzhu ChM, Karamchakova ON, Luzina FA, Lotosh EA, Dambueva IK, Ondar UN, Zakharov IA. **Polymorphism of the Y-chromosome diallelic loci in the ethnic populations of the Altai-Sayan region** // Genetika. 2002 Mar;38(3):393-9. Файл

Derenko MV, Grzybowski T, Malyarchuk BA, Dambueva IK, Denisova GA, Czarny J, Dorzhu CM, Kakpakov VT, Miścicka-Sliwka D, Woźniak M, Zakharov IA. **Diversity of mitochondrial DNA lineages in South Siberia.** // Ann Hum Genet. 2003 Sep;67(Pt 5):391-411. Файл

Derenko MV, Lunkina AV, Maliarchuk BA, Zakharov IA, Tsedev T, Park KS, Cho YM, Lee NK, Chu CH. **Restriction polymorphism of mitochondrial DNA in Koreans and Mongolians** // Genetika. 2004 Nov;40(11):1562-70. Файл

Derenko M, Malyarchuk B, Denisova GA, Wozniak M, Dambueva I, Dorzhu C, Luzina F, Miścicka-Sliwka D, Zakharov I. **Contrasting patterns of Y-chromosome variation in South Siberian populations from Baikal and Altai-Sayan regions.** // Hum Genet. 2006 Jan;118(5):591-604. Epub 2005 Oct 27. Файл

Der Sarkissian C, Brotherton P, Balanovsky O, Templeton JE, Llamas B, Soubrier J, Moiseyev V, Khartanovich V, Cooper A, Haak W; Genographic Consortium. **Mitochondrial Genome Sequencing in Mesolithic North East Europe Unearths a New Sub-Clade within the BroadlyDistributed Human Haplogroup C1.** // PLoS One. 2014 Feb 4;V.9(2):e87612. Файл

de-Dios Toni et al. **Metagenomic analysis of a blood stain from the French revolutionary Jean-Paul Marat (1743- 1793)** // bioRxiv preprint first posted online Oct. 31, 2019; doi: http://dx.doi.org/10.1101/825034.

https://www.biorxiv.org/content/10.1101/825034v1

Dulik M.C., Owings A.C., Gaieski J.B., Vilar M.G., Andre A., Lennie C., Mackenzie M.A., Kritsch I., Snowshoe S., Wright R., Martin J., Gibson N., Andrews T.D., Schurr T.G.; The Genographic Consortium (Balanovsky O., Balanovska E.). **Y-chromosome analysis reveals genetic divergence and new founding native lineages in Athapaskan- and Eskimoan-speaking populations.** // Proc Natl Acad Sci U S A. 2012. May 29. 109(22). P. 8471-8476. Файл

Durvasula Arun , Sankararaman Sriram. **Recovering signals of ghost archaic introgression in African populations** // Sci. Adv. 2020; Vol. 6, no. 7, eaax5097 DOI: 10.1126/sciadv.aax5097 https://advances.sciencemag.org/content/6/7/eaax5097

El-Sibai M, Platt DE, Haber M, Xue Y, Youhanna SC, Wells RS, Izaabel H, Sanyoura MF, Harmanani H, Bonab MA, Behbehani J, Hashwa F, Tyler-Smith C, Zalloua PA; Genographic Consortium. **Geographical structure of the Y-chromosomal genetic landscape of the Levant: a coastal-inland contrast.** // Ann Hum Genet. 2009 Nov; V. 73. P.568-581. Файл

Esposito U, Das R, Syed S, Pirooznia M, Elhaik E. Ancient Ancestry Informative Markers for Identifying Fine-Scale Ancient Population Structure in Eurasians // Genes (Basel). 2018 Dec 12;9(12). pii: E625. doi: 10.3390/genes9120625 Файл

Evseeva I, Spurkland A, Thorsby E, Smerdel A, Tranebjaerg L, Boldyreva M, Groudakova E, Gouskova I, Alexeev LL. **HLA profile of three ethnic groups living in the North-Western region of Russia. //** Tissue Antigens. 2002. 59(1). P. 38-43. Файл

Evseeva I., Nicodemus K.K., Bonilla C., Tonks S., Bodmer W.F. **Linkage disequilibrium and age of HLA region SNPs in relation to classic HLA gene alleles within Europe. //** Eur J Hum Genet. 2010 Aug;18(8):924-32. Файл

Fedorova S.A., Bermisheva M.A., Villems R., Maksimova N.R., and Khusnutdinova E.K. **Analysis of Mitochondrial DNA Lineages in Yakuts //** Molecular Biology, Vol. 37, No. 4, 2003, pp. 544–553. Файл

Finnilä S, Lehtonen MS, Majamaa K. **Phylogenetic network for European mtDNA. //** Am J Hum Genet. 2001 Jun; 68(6):1475-84. Epub 2001 May 10. Файл

Gaieski J.B., Owings A.C., Vilar M.G., Dulik M.C., Gaieski D.F., Gittelman R.M., Lindo J., Gau L., Schurr T.G., The Genographic Consortium. **Genetic ancestry and indigenous heritage in a Native American Descendant Community in Bermuda. //** Am J Phys Anthropol. 2011. Nov. 146(3). P. 392-405. Файл

Gan R.J., Pan S.L., Mustavich L.F., Qin Z.D., Cai X.Y., Qian J., Liu C.W., Peng J.H., Li S.L., Xu J.S., Jin L., Li H.; Genographic Consortium. **Pinghua population as an exception of Han Chinese's coherent genetic structure. //** J Hum Genet. 2008. 53(4) P. 303-13. Epub 2008 Feb 13. Файл

GenomeAsia100K Consortium. **The GenomeAsia 100K Project enables genetic discoveries across Asia //** Nature https://doi.org/10.1038/s41586-019-1793-z

Goltsova TV, Osipova LP, Zhadanov SI, Villems R. **The effect of marriage migration on the genetic structure of the Taimyr Nganasan population: genealogical analysis inferred from MtDNA markers //** Genetika. 2005 Jul;41(7):954-65. Файл

Golubenlo MV, Puzyrev VP, Saliukov VB, Kucher AN, Sanchat NO. **Analysis of distribution of «mongoloid» haplogroups of mitochondrial DNA among indigenous population of the Tuva Republic //** Genetika. 2001 Jun;37(6):831-9. Файл

Haak W., Balanovsky O., Sanchez J.J., Koshel S., Zaporozhchenko V., Adler C.J., Der Sarkissian C.S.I., Brandt G., Schwarz C., Nicklisch N., Dresely V., Fritsch B., Balanovska E., Villems R., Meller H., Alt K.W., Cooper A. & The Genographic Consortium. **Ancient DNA from European Early Neolithic Farmers Reveals Their Near Eastern Affinities. //** PLoS Biology. 2010. Nov 9, V 8(11):e1000536. Файл

Marc Haber, Daniel E Platt, Danielle A Badro, Yali Xue, Mirvat El-Sibai, Maziar Ashrafian Bonab, Sonia C Youhanna, Stephanie Saade, David F Soria-Hernanz, Ajay Royyuru, R Spencer Wells, Chris Tyler-Smith, Pierre A Zalloua, & The Genographic Consortium. **Influences of history, geography, and religion on genetic structure: the Maronites in Lebanon. //** European Journal of Human Genetics. 2011 Mar. 19(3). 334-340. Файл

Haber M., Platt D.E., Ashrafian Bonab M., Youhanna S.C., Soria-Hernanz D.F., Martínez-Cruz B., Douaihy B,, Ghassibe-Sabbagh M., Rafatpanah H., Ghanbari M., Whale J., Balanovsky O., Wells R.S., Comas D., Tyler-Smith C., Zalloua P.A. **The Genographic Consortium. Afghanistan's Ethnic Groups Share a Y-Chromosomal Heritage Structured by Historical Events. //** PLoS One. 2012. 7(3):e34288. Файл

Haber M., Youhanna S.C., Balanovsky O., Saade S., Martínez-Cruz B., Ghassibe-Sabbagh M., Shasha N., Osman R., el Bayeh H., Koshel S., Zaporozhchenko V., Balanovska E., Soria-Hernanz D.F., Platt D.E., Zalloua P.A. **mtDNA lineages reveal coronary artery disease-associated structures in the Lebanese population. //** Ann Hum Genet. 2012. 76(1). P. 1-8. Файл

Helgason A, Hickey E, Goodacre S, Bosnes V, Stefánsson K, Ward R, Sykes B. **mtDNA and the islands of the North Atlantic: estimating the proportions of Norse and Gaelic ancestry. //** Am J Hum Genet. 2001 Mar;68(3):723-37. Epub 2001 Feb 1. Файл

Javed A., Mele M., Pybus M., Zalloua P., Haber M., Comas D., Netea M.G., Balanovsky O., Balanovska E., Jin L., Yang Y., ArunKumar G.P., Pitchappan R., Bertranpetit J., Calafell F., Parida L., The Genographic Consortium. **Recombination Networks as Genetic Markers in A Human Variation Study of the Old World. //** Human Genetics. 2012. Apr. 131(4). P. 601-613. Файл

Jota M.S., Lacerda D.R., Sandoval J.R., Vieira P.P., Santos-Lopes S.S., Bisso-Machado R., Paixao-Cortes V.R., Revollo S., Paz-Y-Mino C., Fujita R., Salzano F.M., Bonatto S.L., Bortolini M.C., Santos F.R., The Genographic Consortium. **A new subhaplogroup of native American Y-Chromosomes from the Andes. //** Am J Phys Anthropol. 2011. Dec. 146(4). P. 553-559. Файл

Kang L., Lu Y., Wang C., Hu K., Chen F., Liu K., Li S., Jin L., Li H., The Genographic Consortium. **Y-chromosome O3 haplogroup diversity in Sino-Tibetan populations reveals two migration routes into the eastern Himalayas. //** Ann Hum Genet. 2012. Jan. 76(1). P. 92-99. Файл

Karafet TM, Osipova LP, Gubina MA, Posukh OL, Zegura SL, Hammer MF. **High levels of Y-chromosome differentiation among native Siberian populations and the genetic signature of a boreal hunter-gatherer way of life. //** Hum Biol. 2002 Dec;74(6):761-89. Файл

Karafet TM, Mendez FL, Meilerman MB, Underhill PA, Zegura SL, Hammer MF. **New binary polymorphisms reshape and increase resolution of the human Y chromosomal haplogroup tree. //** Genome Res. 2008 May; 18(5):830-8. Файл

Karafet T.M., Osipova L.P., Savina O.V., Hallmark B., Ham M.F. **Siberian genetic diversity reveals complex origins of the Samoyedic-speaking populations //** Am J Hum Biol. 2018 Nov 8:e23194. doi: 10.1002/ajhb.23194 Файл

Kasperaviciūte D, Kucinskas V, Stoneking M. **Y chromosome and mitochondrial DNA variation in Lithuanians. //** Ann Hum Genet. 2004 Sep;68(Pt 5):438-52 Файл

Kayser M, Lao O, Anslinger K, Augustin C, Bargel G, Edelmann J, Elias S, Heinrich M, Henke J, Henke L, Hohoff C, Illing A, Jonkisz A, Kuzniar P, Lebioda A, Lessig R, Lewicki S, Maciejewska A, Monies DM, Pawłowski R, Poetsch M, Schmid D, Schmidt U, Schneider PM, Stradmann-Bellinghausen B, Szibor R, Wegener R, Wozniak M, Zoledziewska M, Roewer L, Dobosz T, Ploski R. **Significant genetic differentiation between Poland and Germany follows present-day political borders, as revealed by Y-chromosome analysis. //** Hum Genet. 2005 Sep;117(5):428-43. Epub 2005 Jun 16. Файл

Keyser C. et al. **Genetic evidence suggests a sense of family, parity and conquest in the Xiongnu Iron Age nomads of Mongolia //** Human Genetics. 2020. https://doi.org/10.1007/s00439-020-02209-4. Файл

Kharkov VN, Stepanov VA, Borinskaya SA, Kozhekbaeva ZhM, Gusar VA, Grechanina EY, Puzyrev VP, Khusnutdinova EK, Yankovsky NK **Gene Pool Structure of Eastern Ukrainians as Inferred from the Y-Chromosome Haplogroups. //** » Genetika, March 2004, Volume 40, Issue 3, pp 326-331. » Файл

Kivisild T, Villems R, Jorde LB, Bamshad M, Kumar S, Hedrick P, Dowling T, Stoneking M, Parsons TJ, Irwin JA, Awadalla P, Eyre-Walker A, Smith JM. **Questioning evidence for recombination in human mitochondrial DNA. //** Science. 2000 Jun 16; 288(5473):1931a. Файл

Kivisild T, Tolk HV, Parik J, Wang Y, Papiha SS, Bandelt HJ, Villems R. **The emerging limbs and twigs of the East Asian mtDNA tree. //** Mol Biol Evol. 2002 Oct;19(10):1737-51. Файл

Kivisild T, Reidla M, Metspalu E, Rosa A, Brehm A, Pennarun E, Parik J, Geberhiwot T, Usanga E, Villems R. **Ethiopian mitochondrial DNA heritage: tracking gene flow across and around the gate of tears. //** Am J Hum Genet. 2004 Nov;75(5):752-70. Epub 2004 Sep 27. Файл

Kolobova Kseniya A. , Roberts Richard G. , Chabaid Victor P. , ……, Derevianko Anatoly P. **Archaeological evidence for two separate dispersals of Neanderthals into southern Siberia //** PNAS. 2020. www.pnas.org/cgi/doi/10.1073/pnas.1918047117

Kozintsev Alexander. **Proto-Indo-Europeans: The Prologue //** Journal of Indo-European Studies, vol. 47 (3-4), pp.293-380, 2019 https://www.academia.edu/41077803/Proto-Indo-Europeans_The_Prologue?email_work_card=view-paper

Lappalainen T, Laitinen V, Salmela E, Andersen P, Huoponen K, Savontaus ML, Lahermo P. **Migration waves to the Baltic Sea region. //** Ann Hum Genet. 2008 May;72(Pt 3):337-48. doi: 10.1111/j.1469-1809.2007.00429.x. Epub 2008 Feb 19. Файл

Limborska SA, Balanovsky OP, Balanovskaya EV, Slominsky PA, Schadrina MI, Livshits LA, Kravchenko SA, Pampuha VM, Khusnutdinova EK, Spitsyn VA. **Analysis of CCR5Delta32 geographic distribution and its correlation with some climatic and geographic factors. //** Human Heredity. 2002. V. 53. № 1. P.49-54. Файл

Limborska S.A., Slominsky P.A., Nurbaev S.D., Balanovskaya E.V., Shadrina M.I., Popova S.N. , Belyaeva O.V., Pogoda T.V., Balanovsky O.P., Verbenko D.A., Bulaeva K.B., Khusnutdinova E.K. , Spitsyn V.A., Mikulich A.I. **East European lowland as an area of long-time interaction between Caucasoid and Mongoloid peoples. //** Human Evolution. 2004. V:19(3), P.203-214. Файл

Lipson Mark et al. **Ancient West African foragers in the context of African population history //** Nature DOI 10.1038/s41586-020-1929-1 Файл

Loogvali EL, Roostalu U, Malyarchuk BA, Derenko MV, Kivisild T, Metspalu E, Tambets K, Reidla M, Tolk HV, Parik J, Pennarun E, Laos S, Lunkina A, Golubenko M, Barac L, Pericic M, Balanovsky OP, Gusar V, Khusnutdinova EK, Stepanov V, Puzyrev V, Rudan P, Balanovska EV, Grechanina E, Richard C, Moisan JP, Chaventre A, Anagnou NP, Pappa KI, Michalodimitrakis EN, Claustres M, Golge M, Mikerezi I, Usanga E, Villems R. **Disuniting Uniformity: A Pied Cladistic Canvas of mtDNA Haplogroup H in Eurasia. //** Mol. Biol. Evol. 21(11):2012–2021.2004. Файл

Lu Chen et al. **Identifying and Interpreting Apparent Neanderthal Ancestry in African Individuals //** 2020, Cell 180, 1–11 February 20, 2020 ª 2020 Published by Elsevier Inc. https://doi.org/10.1016/j.cell.2020.01.012 Файл

Lu Y., Wang C., Qin Z., Wen B., Farina S.E., Jin L., Li H., The Genographic Consortium. **Mitochondrial origin of the matrilocal Mosuo people in China. //** Mitochondrial DNA. 2012. Feb. 23(1). P. 13-19. Файл

Macaulay V, Richards M, Hickey E, Vega E, Cruciani F, Guida V, Scozzari R, Bonné-Tamir B, Sykes B, Torroni A. **The emerging tree of West Eurasian mtDNAs: a synthesis of control-region sequences and RFLPs. //** Am J Hum Genet. 1999 Jan; 64(1):232-49. Файл

Mallory, A. Dybo, and O. Balanovsky. **The Impact of Genetics Research on Archaeology and Linguistics in Eurasia //** Russian Journal of Genetics, 2019, Vol. 55, No. 12, pp. 1472–1487. Файл

Malyarchuk BA, Derenko MV. **Mitochondrial DNA variability in Russians and Ukrainians: implication to the origin of the Eastern Slavs. //** Ann Hum Genet. 2001 Jan;65(Pt 1):63-78. Файл

Malyarchuk BA, Denisova GA, Derenko MV, Rogaev EI, Vlasenko LV, Zhukova SG. **Variability in mitochondrial DNA in Russian inhabitants from Krasnodar Krai, Belgorod and the lower Novgorod region //** Genetika, 2001 Oct; 37(10):1411-6. Файл

Malyarchuk BA, Grzybowski T, Derenko MV, Czarny J, Woźniak M, Miścicka-Sliwka D. **Mitochondrial DNA variability in Poles and Russians. //** Ann Hum Genet. 2002 Jul;66(Pt 4):261-83. Файл

Malyarchuk BA, Derenko MV, Grzybowski T, Czarny J, Miscicka-Slivka D, Denisova GA, Kostiunina EA. **Mitochondrial DNA variation in Russian populations of Stavropol krai, Orel and Saratov oblasts //** Genetika, 2002 Nov; 38(11):1532-8. Файл

Malyarchuk B, Derenko M, Grzybowski T, Lunkina A, Czarny J, Rychkov S, Morozova I, Denisova G, Miścicka-Sliwka D. **Differentiation of mitochondrial DNA and Y chromosomes in Russian populations. //** Hum Biol. 2004 Dec;76(6):877-900. Файл

Malyarchuk BA. **Differentiation of the Mitochondrial Subhaplogroup U4 in the Populations of Eastern Europe, Ural, and Western Siberia: Implication to the Genetic History of the Uralic Populations. //** Genetika, November 2004, Volume 40, Issue 11, pp 1281-1287. Файл

Margaryan A., Lawson D., Sikora M. et al. **Population genomics 1 of the Viking world //** Nature, 2020; DOI: 10.1038/s41586-020-2688-8

Файл

Martinez-Cruz B., Ziegle J., Sanz P., Sotelo G., Anglada R., Plaza S., Comas D., The Genographic Consortium. **Multiplex single-nucleotide polymorphism typing of the human Y chromosome using TaqMan probes. //** Investig Genet. 2011. May 31. P. 2-13. Файл

Martinez-Cruz B., Harmant C., Platt D.E., Haak W., Manry J., Ramos-Luis E., Soria-Hernanz D.F., Bauduer F., Salaberria J., Oyharcabal B., Quintana-Murci L., Comas D., The Genographic Consortium. **Evidence of pre-Roman tribal genetic structure in Basques from uniparentally inherited markers. //** Mol Biol Evol. 2012. Sep. 29(9). P. 2211-2222. Файл

Martinez-Cruz B., Ioana M., Calafell F., Arauna L.R., Sanz P., Ionescu R., Boengiu S., Kalaydjieva L., Pamjav H., Makukh H., Plantinga T., van der Meer J.W., Comas D., Netea M.G., The Genographic Consortium. **Y-chromosome analysis in individuals bearing the Basarab name of the first dynasty of Wallachian kings. //** PLoS One. 2012. 7(7):e41803. Файл

Mele M., Javed A., Pybus M., Calafell F., Parida L., Bertranpetit J., The Genographic Consortium. **A New Method to Reconstruct Recombination Events at a Genomic Scale. //** PLoS Computational Biology, November 2010, V 6, P 1-13. Файл

Mele M., Javed A., Pybus M., Zalloua P., Haber M., Comas D., Netea M.G., Balanovsky O., Balanovska E., Jin L., Yang Y., Pitchappan R.M., Arunkumar G., Parida L., Calafell F., Bertranpetit J., The Genographic Consortium. **Recombination gives a new insight in the effective population size and the history of the old world human populations. //** Mol Biol Evol. 2012 Jan. 29(1). P. 25-30. Файл

Metspalu M, Kivisild T, Metspalu E, Parik J, Hudjashov G, Kaldma K, Serk P, Karmin M, Behar DM, Gilbert MT, Endicott P, Mastana S, Papiha SS, Skorecki K, Torroni A, Villems R. **Most of the extant mtDNA boundaries in south and southwest Asia were likely shaped during the initial settlement of Eurasia by anatomically modern humans. //** BMC Genet. 2004 Aug 31;5:26. Файл

Mittnik A., Wang Ch.-Ch., Pfrengle S., Daubaras M., Zariņa G., Hallgren F., Allmäe R., Khartanovich V., Moiseyev V., Tõrv M., Furtwängler A., Valtueña A.A., Feldman M., Economou C., Oinonen M., Vasks A., Balanovska E., Reich D., Jankauskas R., Haak W., Schiffels S. & Krause J. **The genetic prehistory of the Baltic Sea region //** Nature Communications. 2018. 9(1):442. Published online 2018 Jan 30 DOI 10.1038/s41467-018-02825-9 Файл mittnik2018

Mordechai Lee et al. **The Justinianic Plague: An inconsequential pandemic? //** PNAS first published December 2, 2019 https://doi.org/10.1073/pnas.1903797116

Moreno-Mayar JV, Vinner L, de Barros Damgaard P, de la Fuente C, Chan J, Spence JP, Allentoft ME, Vimala T, Racimo F, Pinotti T, Rasmussen S, Margaryan A, Iraeta Orbegozo M, Mylopotamitaki D, Wooller M, Bataille C, Becerra-Valdivia L, Chivall D, Comeskey D, Devièse T, Grayson DK, George L, Harry H, Alexandersen V, Primeau C, Erlandson J, Rodrigues-Carvalho C, Reis S, Bastos MQR, Cybulski J, Vullo C, Morello F, Vilar M, Wells S, Gregersen K, Hansen KL, Lynnerup N, Mirazón Lahr M, Kjær K, Strauss A, Alfonso-Durruty M, Salas A, Schroeder H, Higham T, Malhi RS, Rasic JT, Souza L, Santos FR, Malaspinas AS, Sikora M, Nielsen R, Song YS, Meltzer DJ, Willerslev E **Early human dispersals within the Americas //** Science 10.1126/science.aav2621 (2018) Файл Moreno-Mayar_Willerslev_2018_Early human dispersals within the Americas

Myres N.M., Rootsi S., Lin A.A., Ja¨rve M., King R.J., Kutuev I., Cabrera V.M., Khusnutdinova E.K., Pshenichnov A., Yunusbayev B., Balanovsky O., Balanovska E., Rudan P., Baldovic M., Herrera R.J., Chiaroni J., Cristofaro J.D., Villems R., Kivisild T. and Underhill P.A. **A major Y-chromosome haplogroup R1b Holocene era founder effect in Central and Western Europe. //** European Journal of Human Genetics. 2011. Jan. 19(1). P 95-101. Файл

Nagle N., van Oven M., Wilcox S., van Holst Pellekaan S., Tyler-Smith C., Xue Y., Ballantyne K.N., Wilcox L., Papac L., Cooke K., van Oorschot R.A., McAllister P., Williams L., Kayser M., Mitchell R.J.; Genographic Consortium (Balanovsly O., Balanovska E.V.) **Aboriginal Australian mitochondrial genome variation — an increased understanding of population antiquity and diversity** //Scientific Reports. 2017. V. 43041. N.7. DOI: 10.1038/srep43041. Файл

Ongaro L., Scliar M.O., Flores R., Raveane A., Marnetto D., Sarno S., Gnecchi-Ruscone G.A., Alarcon-Riquelme M., Patin E., Wangkumhang P., Hellenthal G., Gonzalez-Santos M., King R.J., Kouvatsi A., Balanovsky O., Balanovska E., Atramentova L., Turdikulova S., Mastana S., Marjanovic D., Kovacevic L., Leskovac A., Lima-Costa M.F., Pereira A.C., Barreto M.L., Horta B.L., Mabunda N., May C.A., Moreno-Estrada A., Achilli A., Olivieri A., Semino O., Tambets K., Kivisild T., Luiselli D., Torroni A., Capelli C., Tarazona-Santos E., Metspalu M., Pagani L., Montinaro F. **The genomic impact of European colonization of the Americas //** Current Biology. Preprint first posted online 2019 June 21. DOI: 10.1101/676437 https://papers.ssrn.com/sol3/papers.cfm?abstract_id=3417946

Översti Sanni et al. **Human mitochondrial DNA lineages in Iron-Age Fennoscandia suggest incipient admixture and eastern introduction of farming related maternal ancestry //** *Scientific Reports* volume 9, Article number: 16883 (2019) https://www.nature.com/articles/s41598-019-51045-8

Posth C, Nakatsuka N, Lazaridis I, Skoglund P, Mallick S, Lamnidis TC, Rohland N, Nägele K, Adamski N, Bertolini E, Broomandkhoshbacht N, Cooper A, Culleton BJ, Ferraz T, Ferry M, Furtwängler A, Haak W, Harkins K, Harper TK, Hünemeier T, Lawson AM, Llamas B, Michel M, Nelson E, Oppenheimer J, Patterson N, Schiffels S, Sedig J, Stewardson K, Talamo S, Wang CC, Hublin JJ, Hubbe M, Harvati K, Nuevo Delaunay A, Beier J, Francken M, Kaulicke P, Reyes-Centeno H, Rademaker K, Trask WR, Robinson M, Gutierrez SM, Prufer KM, Salazar-García DC, Chim EN, Müller Plumm Gomes L, Alves ML, Liryo A, Inglez M, Oliveira RE, Bernardo DV, Barioni A, Wesolowski V, Scheifler NA, Rivera MA, Plens CR, Messineo PG, Figuti L, Corach D, Scabuzzo C, Eggers S, DeBlasis P, Reindel M, Méndez C, Politis G, Tomasto-Cagigao E, Kennett DJ, Strauss A, Fehren-Schmitz L, Krause J, Reich D. **Reconstructing the Deep Population History of Central and South America //** Cell. 2018 Nov 15;175(5):1185-1197.e22. doi: 10.1016/j.cell.2018.10.027. Epub 2018 Nov 8. Файл Posth_Reich_2018_Reconstructing the Deep Population History of

Nasidze I, Stoneking M. **Mitochondrial DNA variation and language replacements in the Caucasus. //** Proc Biol Sci. 2001 Jun 7; 268(1472):1197-206. Файл

Nasidze I, Sarkisian T, Kerimov A, Stoneking M. **Testing hypotheses of language replacement in the Caucasus: evidence from the Y-chromosome. //** Hum Genet. 2003 Mar; 112(3):255-61. Epub 2002 Dec 14. Файл

Nasidze I, Quinque D, Dupanloup I, Rychkov S, Naumova O, Zhukova O, Stoneking M. **Genetic evidence concerning the origins of South and North Ossetians. //** Ann Hum Genet. 2004 Nov; 68(Pt 6):588-99. Файл

Nasidze I, Ling EY, Quinque D, Dupanloup I, Cordaux R, Rychkov S, Naumova O, Zhukova O, Sarraf-Zadegan N, Naderi GA, Asgary S, Sardas S, Farhud DD, Sarkisian T, Asadov C, Kerimov A, Stoneking M. **Mitochondrial DNA and Y-chromosome variation in the caucasus. //** Ann Hum Genet. 2004 May; 68(Pt 3):205-21. Файл

Nasidze I, Quinque D, Dupanloup I, Cordaux R, Kokshunova L, Stoneking M. **Genetic evidence for the Mongolian ancestry of**

Kalmyks. // Am J Phys Anthropol. 2005 Dec;128(4):846-54. Файл

Nasidze I, Quinque D, Rahmani M, Alemohamad SA, Stoneking M. **Concomitant replacement of language and mtDNA in South Caspian populations of Iran.** // Curr Biol. 2006 Apr 4; 16(7):668-73. Файл

Nasidze I, Quinque D, Udina I, Kunizheva S, Stoneking M. **The Gagauz, a linguistic enclave, are not a genetic isolate.** // Ann Hum Genet. 2007 May; 71(Pt 3):379-89. Epub 2006 Nov 28. Файл

Nei M. **Analysis of gene diversity in subdivided populations.** // Proc Natl Acad Sci U S A. 1973 Dec;70(12):3321-3. Файл

Oota H, Settheetham-Ishida W, Tiwawech D, Ishida T, Stoneking M. **Human mtDNA and Y-chromosome variation is correlated with matrilocal versus patrilocal residence.** // Nat Genet. 2001 Sep; 29(1):20-1. Файл

Orekhov V, Poltoraus A, Zhivotovsky LA, Spitsyn V, Ivanov P, Yankovsky N. **Mitochondrial DNA sequence diversity in Russians.** // FEBS Lett. 1999 Feb 19;445(1):197-201. Файл

Parida L, Javed A, Mele M, Calafell F, Bertranpetit J; Genographic Consortium. **Minimizing recombinations in consensus networks for phylogeographic studies.** // BMC Bioinformatics. 2009 Jan 30;10. P 1-12. Файл

Petr M., Hajdinjak M., Fu O. et al. **The evolutionary history of Neandertal and Denisovan Y chromosomes** // Science Vol. 369, Issue 6511, pp. 1653-1656 DOI: 10.1126/science.abb6460 Файл

Popova S. N., Slominsky P.A., Pocheshnova E.A., Balanovskaya E.V., Tarskaya L.A., Bebyakova NA.,Bets L.V., Ivanov V.P., Livshits L.A., Khusnutdinova E.K., Spitcyn V.A., Limborska S.A. **Polymorphism of trinucleotide repeats in loci DM, DRPLA and SCA1 in East European populations. Trinudeotide repeat polymorphism in East Europe.** // Eur J Hum Genet 2001.N9.P.829-835. Файл

Pshenichnov A, Balanovsky O, Utevska O, Metspalu E, Zaporozhchenko V, Agdzhoyan A, Churnosov M, Atramentova L, Balanovska E. **Genetic affinities of Ukrainians from the maternal perspective.** // Am J Phys Anthropol. 2013 Sep 30. [Epub ahead of print]. Файл

Qin Z., Yang Y., Kang L., Yan S., Cho K., Cai X., Lu Y., Zheng H., Zhu D., Fei D., Li S., Jin L., Li H; and The Genographic Consortium. **A mitochondrial revelation of early human migrations to the Tibetan Plateau before and after the last glacial maximum.** // Am J Phys Anthropol. 2010 Jul 7. Файл

Quintana-Murci L., Quach H., Harmant C., Luca F., Massonnet B., Patin E., Sica L., Mouguiama-Daouda P., Comas D., Tzur S., Balanovsky O., Kidd K.K., Kidd J.R., van der Veen L., Hombert J.M., Gessain A., Verdu P., Froment A., Bahuchet S., Heyer E., Dausset J., Salas A., Behar D.M. **Maternal traces of deep common ancestry and asymmetric gene flow between Pygmy hunter-gatherers and Bantu-speaking farmers.** // Proc Natl Acad Sci U S A, 2008 Feb 5, 105(5), pp.1596-601, на англ. яз. Файл

Quintana-Murci L., Harmant C., Quach H., Balanovsky O., Zaporozhchenko V., Bormans C., van Helden P.D., Hoal E.G., Behar D.M. **Strong maternal Khoisan contribution to the South African coloured population: a case of gender-biased admixture.** // Am J Hum Genet. 2010 Apr 9;86(4):611-20. Epub 2010 Mar 25. Файл

Raghavan M, Skoglund P, Graf KE, Metspalu M, Albrechtsen A, Moltke I, Rasmussen S, Stafford Jr TW, Orlando L, Metspalu E, Karmin M, Tambets K, Rootsi S, Mägi R, Campos PF, Balanovska E, Balanovsky O, Khusnutdinova E, Litvinov S, Osipova LP, Fedorova SA, Voevoda MI, Degiorgio M, Sicheritz-Ponten T, Brunak S, Demeshchenko S, Kivisild T, Villems R, Nielsen R, Jakobsson M, Willerslev E. **Upper Palaeolithic Siberian genome reveals dual ancestry of Native Americans.** // Nature. 2013 Nov 20. doi: 10.1038/nature12736. [Epub ahead of print] Ссылка

Rebała K, Mikulich AI, Tsybovsky IS, Siváková D, Dzupinková Z, Szczerkowska-Dobosz A, Szczerkowska Z. **Y-STR variation among Slavs: evidence for the Slavic homeland in the middle Dnieper basin.** // J Hum Genet. 2007; 52(5):406-14. Epub 2007 Mar 16. Файл

Reidla M, Kivisild T, Metspalu E, Kaldma K, Tambets K, Tolk HV, Parik J, Loogväli EL, Derenko M, Malyarchuk B, Bermisheva M, Zhadanov S, Pennarun E, Gubina M, Golubenko M, Damba L, Fedorova S, Gusar V, Grechanina E, Mikerezi I, Moisan JP, Chaventré A, Khusnutdinova E, Osipova L, Stepanov V, Voevoda M, Achilli A, Rengo C, Rickards O, De Stefano GF, Papiha S, Beckman L, Janicijevic B, Rudan P, Anagnou N, Michalodimitrakis E, Koziel S, Usanga E, Geberhiwot T, Herrnstadt C, Howell N, Torroni A, Villems R. **Origin and diffusion of mtDNA haplogroup X.** // Am J Hum Genet. 2003 Nov; 73(5):1178-90. Файл

Richards M, Macaulay V, Hickey E, Vega E, Sykes B, Guida V, Rengo C, Sellitto D, Cruciani F, Kivisild T, Villems R, Thomas M, Rychkov S, Rychkov O, Rychkov Y, Gölge M, Dimitrov D, Hill E, Bradley D, Romano V, Calì F, Vona G, Demaine A, Papiha S, Triantaphyllidis C, Stefanescu G, Hatina J, Belledi M, Di Rienzo A, Novelletto A, Oppenheim A, Nørby S, Al-Zaheri N, Santachiara-

Benerecetti S, Scozari R, Torroni A, Bandelt HJ. **Tracing European founder lineages in the Near Eastern mtDNA pool. //** Am J Hum Genet. 2000 Nov;67(5):1251-76. Epub 2000 Oct 16. Файл

Rogers Alan R. , Harris Nathan S. , Achenbach Alan A. **Neanderthal-Denisovan ancestors interbred with a distantly related hominin //** Science Advances 20 Feb 2020: Vol. 6, no. 8, eaay5483 DOI: 10.1126/sciadv.aay5483 https://advances.sciencemag.org/content/6/8/eaay5483

Roewer L, Krawczak M, Willuweit S, Nagy M, Alves C, Amorim A, Anslinger K, Augustin C, Betz A, Bosch E, Cagliá A, Carracedo A, Corach D, Dekairelle AF, Dobosz T, Dupuy BM, Füredi S, Gehrig C, Gusmaõ L, Henke J, Henke L, Hidding M, Hohoff C, Hoste B, Jobling MA, Kärgel HJ, de Knijff P, Lessig R, Liebeherr E, Lorente M, Martínez-Jarreta B, Nievas P, Nowak M, Parson W, Pascali VL, Penacino G, Ploski R, Rolf B, Sala A, Schmidt U, Schmitt C, Schneider PM, Szibor R, Teifel-Greding J, Kayser M. **Online reference database of European Y-chromosomal short tandem repeat (STR) haplotypes. //** Файл

Rootsi S, Magri C, Kivisild T, Benuzzi G, Help H, Bermisheva M, Kutuev I, Barac L, Pericic M, Balanovsky O, Pshenichnov A, Dion D, Grobei M, Zhivotovsky L, Battaglia V, Achilli A, Al-Zahery A, Parik J, King R, Cinnioglu C, Khusnutdinova E, Rudan P, Balanovska E, Scheffrahn W, Simonescu M, Brehm A, Goncalves R, Rosa A, Moisan J-P, Chaventre A, Ferak V, Furedi S, Oefner P, Shen P, Beckman L, Mikerezi I, Terzic R, Primorac D, Cambon-Thomsen A, Krumina A, Torroni A, Underhill P, Santachiara-Benerecetti S, Villems R, Semino O. **Phylogeography of Y-Chromosome Haplogroup I Reveals Distinct Domains of Prehistoric Gene Flow in Europe. //** Am J Hum Genet. 2004. Jul. 75(1) P. 128-37. Файл

Rootsi S, Zhivotovsky LA, Baldovic M, Kayser M, Kutuev IA, Khusainova R, Bermisheva MA, Gubina M, Fedorova SA, Ilumäe AM, Khusnutdinova EK, Voevoda MI, Osipova LP, Stoneking M, Lin AA, Ferak V, Parik J, Kivisild T, Underhill PA, Villems R. **A counter-clockwise northern route of the Y-chromosome haplogroup N from Southeast Asia towards Europe. //** Eur J Hum Genet. 2007 Feb; 15(2):204-11. Файл

Rootsi S., Myres N.M., Lin A.A., Jarve M., King R.J., Kutuev I., Cabrera V.M., Khusnutdinova E.K., Varendi K., Sahakyan H., Behar D.M., Khusainova R., Balanovsky O., Balanovska E., Rudan P., Yepiskoposyan L., Bahmanimehr A., Farjadian S., Kushniarevich A., Herrera R.J., Grugni V., Battaglia V., Nici C., Crobu F., Karachanak S., Kashani B.H., Houshmand M., Sanati M.H., Toncheva D., Lisa A., Semino O., Chiaroni J., Cristofaro J.D., Villems R., Kivisild T., Underhill P.A. **Distinguishing the co-ancestries of haplogroup G Y-chromosomes in the populations of Europe and the Caucasus. //** European Journal of Human Genetics. 2012. Dec.; 20(12) P.1275-1282. Файл

Rosser ZH, Zerjal T, Hurles ME, Adojaan M, Alavantic D, Amorim A, Amos W, Armenteros M, Arroyo E, Barbujani G, Beckman G, Beckman L, Bertranpetit J, Bosch E, Bradley DG, Brede G, Cooper G, Côrte-Real HB, de Knijff P, Decorte R, Dubrova YE, Evgrafov O, Gilissen A, Glisic S, Gölge M, Hill EW, Jeziorowska A, Kalaydjieva L, Kayser M, Kivisild T, Kravchenko SA, Krumina A, Kucinskas V, Lavinha J, Livshits LA, Malaspina P, Maria S, McElreavey K, Meitinger TA, Mikelsaar AV, Mitchell RJ, Nafa K, Nicholson J, Nørby S, Pandya A, Parik J, Patsalis PC, Pereira L, Peterlin B, Pielberg G, Prata MJ, Previderé C, Roewer L, Rootsi S, Rubinsztein DC, Saillard J, Santos FR, Stefanescu G, Sykes BC, Tolun A, Villems R, Tyler-Smith C, Jobling MA. **Y-chromosomal diversity in Europe is clinal and influenced primarily by geography, rather than by language. //** Am J Hum Genet. 2000 Dec;67(6):1526-43. Epub 2000 Nov 9. Файл

Rosset S., Wells R.S., Soria-Hernanz D.F., Tyler-Smith C., Royyuru A.K., Behar D.M.; Genographic Consortium. **Maximum-likelihood estimation of site-specific mutation rates in human mitochondrial DNA from partial phylogenetic classification. //** Genetics, 2008 Nov, 180(3),pp. 1511-24. Epub 2008 Sep 14. Файл

Saillard J, Forster P, Lynnerup N, Bandelt HJ, Nørby S. **mtDNA variation among Greenland Eskimos: the edge of the Beringian expansion. //** Am J Hum Genet. 2000 Sep;67(3):718-26. Epub 2000 Aug 2. Файл

Sakaue Saori et al. **A cross-population atlas of genetic associations for 220 human phenotypes //** Nature Genetics, 2021, volume 53, pages 1415–1424, https://doi.org/10.1038/s41588-021-00931-x Файл

Saag Lehti et al. **Genetic ancestry changes in Stone to Bronze Age transition in the East European plain //** Science Advances 20 Jan 2021: Vol. 7, no. 4, eabd6535 DOI: 10.1126/sciadv.abd6535 Файл

Schurr TG, Sukernik RI, Starikovskaya YB, Wallace DC. **Mitochondrial DNA variation in Koryaks and Itel'men: population replacement in the Okhotsk Sea-Bering Sea region during the Neolithic. //** Am J Phys Anthropol. 1999 Jan; 108(1):1-39. Файл

Schurr T.G., Dulik M.C., Owings A.C., Zhadanov S.I., Gaieski J.B., Vilar M.G., Ramos J., Moss M.B., Natkong F., The Genographic Consortium. **Clan, language, and migration history has shaped genetic diversity in Haida and Tlingit populations from Southeast Alaska. //** Am J Phys Anthropol. 2012. Jul. 148(3). P. 422-435. Файл

Semino O, Passarino G, Oefner PJ, Lin AA, Arbuzova S, Beckman LE, De Benedictis G, Francalacci P, Kouvatsi A, Limborska S,

Marcikiae M, Mika A, Mika B, Primorac D, Santachiara-Benerecetti AS, Cavalli-Sforza LL, Underhill PA. **The genetic legacy of Paleolithic Homo sapiens sapiens in extant Europeans: a Y chromosome perspective. //** Science. 2000 Nov 10;290(5494):1155-9. Файл

Semino O, Magri C, Benuzzi G, Lin AA, Al-Zahery N, Battaglia V, Maccioni L, Triantaphyllidis C, Shen P, Oefner PJ, Zhivotovsky LA, King R, Torroni A, Cavalli-Sforza LL, Underhill PA, Santachiara-Benerecetti AS. **Origin, diffusion, and differentiation of Y-chromosome haplogroups E and J: inferences on the neolithization of Europe and later migratory events in the Mediterranean area. //** Am J Hum Genet. 2004 May; 74(5):1023-34. Файл

Serra-Vidal Gerard et al. **Heterogeneity in Palaeolithic Population Continuity and Neolithic Expansion in North Africa //** Current Biology 29, 1–7 November 18, 2019 https://doi.org/10.1016/j.cub.2019.09.050

https://linkinghub.elsevier.com/retrieve/pii/S0960982219312412

Skourtanioti Eirini et al. **Genomic History of Neolithic to Bronze Age Anatolia, Northern Levant, and Southern Caucasus //** Cell 181, 1158–1175 May 28, 2020 https://doi.org/10.1016/j.cell.2020.04.044

Файл

Starikovskaya EB, Sukernik RI, Derbeneva OA, Volodko NV, Ruiz-Pesini E, Torroni A, Brown MD, Lott MT, Hosseini SH, Huoponen K, Wallace DC. **Mitochondrial DNA diversity in indigenous populations of the southern extent of Siberia, and the origins of Native American haplogroups. //** Ann Hum Genet. 2005 Jan; 69(Pt 1):67-89. Файл

Starikovskaya YB, Sukernik RI, Schurr TG, Kogelnik AM, Wallace DC. **mtDNA diversity in Chukchi and Siberian Eskimos: implications for the genetic history of Ancient Beringia and the peopling of the New World. //** Am J Hum Genet. 1998 Nov; 63(5):1473-91. Файл

Sykes B, Irven C. **Surnames and the Y chromosome. //** Am J Hum Genet. 2000 Apr; 66(4):1417-9. Epub 2000 Mar 17. Файл

Tambets K, Rootsi S, Kivisild T, Help H, Serk P, Loogvali E-L, Tolk H-V, Reidla M, Metspalu E, Pliss L, Balanovsky O, Pshenichnov A, Balanovska E, Gubina M, Zhadanov S, Osipova L, Damba L, Voevoda M, Kutuev I, Bermisheva M, Khusnutdinova E, Gusar V, Grechanina E, Parik J, Pennarun E, Chaventre A, Moisan J-P, Barac L, Pericic M, Rudan P, Terzic R, Mikarezi I, Krumina A, Baumanis V, Beckman L, Villems R. **The western and eastern roots of the extreme European genetic outliers — the origin of mtDNAs and Y-chromosomes of the Saami. //** Am J Hum Genet. 2004. Apr. 74(4) P. 661-82. Файл

Tambets K., Yunusbayev B., Hudjashov G., Ilumäe A-M., Rootsi S., Honkola T., Vesakoski O., Atkinson Q., Pontus P., Kushniarevich A., Litvinov S., Reidla M., Metspalu E., Saag L., Rantanen T., Karmin M., Parik J., Zhadanov S., Gubina M., Damba L., Bermisheva M., Reisberg T., Dibirova K., Evseeva I., Nelis M., Klovins J., Metspalu A., Esko T., Balanovsky O., Balanovska E., Khusnutdinova E., Osipova L., Voevoda M., Villems R., Kivisild T. and Metspalu M. **Genes reveal traces of common recent demographic history for most of the Uralicspeaking populations //** BMC Genome Biology. 2018. Sept. 19:139. https://doi.org/10.1186/s13059-018-1522-1 Файл

Tanaka M, Cabrera VM, González AM, Larruga JM, Takeyasu T, Fuku N, Guo LJ, Hirose R, Fujita Y, Kurata M, Shinoda K, Umetsu K, Yamada Y, Oshida Y, Sato Y, Hattori N, Mizuno Y, Arai Y, Hirose N, Ohta S, Ogawa O, Tanaka Y, Kawamori R, Shamoto-Nagai M, Maruyama W, Shimokata H, Suzuki R, Shimodaira H. **Mitochondrial genome variation in eastern Asia and the peopling of Japan. //** Genome Res. 2004 Oct; 14(10A):1832-50. Файл

Teixeira Joгo C. , Jacobs Guy S., Stringer Chris et al. **Southeast Asia but no evidence of substantial super-archaic hominin admixture //** *Nature Ecology and Evolution, 2021,* https://dx.doi.org/10.1038/s41559-021-01408-0 Файл

Triska P., Chekanov N., Stepanov V., Khusnutdinova E., Arun Kumar G.P., Akhmetova V., Babalyan K., Boulygina E., Kharkov V., Gubina M., Khidiyatova I., Khitrinskaya I, Khrameeva E., Khusainova R., Konovalova N., Litvinov S., Marusin A., Mazur A., Puzyrev V., Ivanoshchuk D., Spiridonova M., Teslyuk A., Tsygankova S., Triska M., Trofimova N., Vajda E., ***Balanovsky O.****, Baranova A., Skryabin K, Tatarinova T., Prokhortchouk E.* **Between Lake Baikal and the Baltic Sea: genomic history of the gateway to Europe //** BMC Genetics. 2017. V.18. Suppl 1:110. P. 5-20. DOI 10.1186/s12863-017-0578-3 Файл Triska_2018_Between Lake Baikal and the Baltic Sea

Theis Z.T. Jensen et al. **A 5700 year-old human genome and oral microbiome from chewed birch pitch //** *Nature Communications.* (2019) 10:5520 | https://doi.org/10.1038/s41467-019-13549-9 https://www.nature.com/articles/s41467-019-13549-9

Uktveryte I., Balanovsky O., Balanovska E., Kucinskas V. **Genetine ivairove tarp Lietuvos populiacijos etnolingvistiniu grupiu**

remiantis Y chromosomos DNR seku tyrimais. // Laboratorine medicina. 2011. 13;2(50). P. 75-79. Файл

Underhill PA, Myres NM, Rootsi S, Metspalu M, Zhivotovsky LA, King RJ, Lin AA, Chow CE, Semino O, Battaglia V, Kutuev I, Järve M, Chaubey G, Ayub Q, Mohyuddin A, Mehdi SQ, Sengupta S, Rogaev EI, Khusnutdinova EK, Pshenichnov A, Balanovsky O, Balanovska E, Jeran N, Augustin DH, Baldovic M, Herrera RJ, Thangaraj K, Singh V, Singh L, Majumder P, Rudan P, Primorac D, Villems R, Kivisild T. **Separating the post-Glacial coancestry of European and Asian Y chromosomes within haplogroup R1a //** Eur J Hum Genet. 2010 Apr; 18(4):479-84. Файл

Underhill P., Myres N., Rootsi S., Metspalu M., Zhivotovsky L., King R., Lin A., Chow C., Semino O., Battaglia V., Kutuev I., Jarve M., Chaubey G., Ayub Q., Mohyuddin A., Mehdi Q., Sengupta S., Rogaev E., Khusnutdinova E., Pshenichnov A., Balanovsky O., Balanovska E., Jeran N., Augustin D., Baldovic M., Herrera R., Thangaraj K., Singh V., Singh L., Majumder P., Rudan P., Primorac D., Villems R., Kivisild T. **Separating the post-Glacial coancestry of European and Asian Y chromosomes within haplogroup R1a. //** European Journal of Human Genetics. 2010 Apr;18(4):479-84. Файл

Verbenko DA, Pogoda TV, Spitsyn VA, Mikulich AI, Bets LV, Bebyakova NA, Ivanov VP, Abolmasov NN, Pocheshkhova EA, Balanovskaya EV, Tarskaya LA, Sorensen MV, Limborska SA. **Apolipoprotein B 3′-VNTR polymorphism in Eastern European populations. //** Eur J Hum Genet. 2003 Jun;11(6):444-451. Файл

Wang Chuan-Chao et al. **Genomic Insights into the Formation of Human Populations in East Asia //** *Nature* (2021) https://doi.org/10.1038/s41586-021-03336-2 Файл

Wells RS, Yuldasheva N, Ruzibakiev R, Underhill PA, Evseeva I, Blue-Smith J, Jin L, Su B, Pitchappan R, Shanmugalakshmi S, Balakrishnan K, Read M, Pearson NM, Zerjal T, Webster MT, Zholoshvili I, Jamarjashvili E, Gambarov S, Nikbin B, Dostiev A, Aknazarov O, Zalloua P, Tsoy I, Kitaev M, Mirrakhimov M, Chariev A, Bodmer WF. **The Eurasian heartland: a continental perspective on Y-chromosome diversity. //** Proc Natl Acad Sci USA. 2001. 28;98(18). P. 10244-10249. Файл

Willerslev Eske & Meltzer David J. **Peopling of the Americas as inferred fromancient genomics //** *Nature*, volume 594, pages 356–364 (2021) Файл

Y Chromosome Consortium. **A nomenclature system for the tree of human Y-chromosomal binary haplogroups. //** Genome Res. 2002 Feb;12(2):339-48. Файл

Zhabagin M., Balanovska E., Sabitov Z., Kuznetsova M., Agdzhoyan A., Balaganskaya O., Chukhryaeva M., Markina N., Romanov A., Skhalyakho R., Zaporozhchenko V., Saroyants L, Dalimova D., Davletchurin D., Turdikulova S., Yusupov Y, Tazhigulova I., Akilzhanova A., Tyler-Smith C., Balanovsky O. **The Connection of the Genetic, Cultural and Geographic Landscapes of Transoxiana //** Scientific Reports. 2017. V.3085. N.7. Published online:08 JuneDOI:10.1038/s41598-017-03176 Файл

Zhabagin M., Sabitov Z., Tarlykov P., Tazhigulova I., Junissova Z., Yerezhepov D., Askapuli A., Akilzhanov R., Zholdybayeva E., Wei L., Akilzhanova A., Balanovsky O., Elena Balanovska E. **The medieval Mongolian roots of paternal lineages from South Kazakhstan //** BMC Genetics. 2020. Volume 21 Supplement 1. Article number: 87 https://doi.org/10.1186/s12863-020-00897-5 Текст статьи в открытом доступе

Zhabagin M., Sabitov Z., Tazhigulova I., Alborova I., Agdzhoyan A., Wei L-H., Urasin V., Koshel S., Mustafin K., Akilzhanova A., Li H., Balanovsky O. & Balanovska E. **Medieval Super-Grandfather founder of Western Kazakh Clans from Haplogroup C2a1a2-M48 //** Journal of Human Genetics (2021) https://doi.org/10.1038/s10038-021-00901-5

Zalloua P.A., Platt D.E., El Sibai M., Khalife J., Makhoul N., Haber M., Xue Y., Izaabel H., Bosch E., Adams S.M., Arroyo E., López-Parra A.M., Aler M., Picornell A., Ramon M., Jobling M.A., Comas D., Bertranpetit J., Wells R.S., Tyler-Smith C.; The Genographic Consortium. **Identifying Genetic Traces of Historical Expansions: Phoenician Footprints in the Mediterranean. //** Am J Hum Genet. 2008. V.83(5). P.633-642. Файл

Zalloua PA., Xue Y., Khalife J., Makhoul N., Debiane L., Platt DE., Royyuru AK., Herrera RJ., Hernanz DF., Blue-Smith J., Wells RS., Comas D., Bertranpetit J., Tyler-Smith C., Schurr TG., Santos FR., Quintana-Murci L., Bertranpetit J., Comas D., Tyler-Smith C., Zalloua PA., Balanovska E., Balanovsky O., Behar DM., Mitchell RJ., Jin L., Soodyall H., Pitchappan R., Cooper A., Royyuru AK., Rosset S., Blue-Smith J., Hernanz DF., Wells RS. **Y-chromosomal diversity in Lebanon is structured by recent historical events. //** Am J Hum Genet. 2008 Apr;82(4). P. 873-882. Epub 2008 Mar 27. Файл

Zhadanov S.I., Dulik M.C., Markley M., Jennings G.W., Gaieski J.B., Elias G., Schurr T.G; Genographic Project Consortium. **Genetic heritage and native identity of the Seaconke Wampanoag tribe of Massachusetts. //** Am J Phys Anthropol. 2010 Aug;142(4):579-89. Файл

Zhang D., Xia H., Chen F. et al. **Denisovan DNA in Late Pleistocene sediments from Baishiya Karst Cave on the Tibetan**

Plateau // Science 30 Oct 2020: Vol. 370, Issue 6516, pp. 584-587
DOI: 10.1126/science.abb6320 Файл

Yan Riza et al. **Last appearance of *Homo erectus* at Ngandong, Java, 117,000–108,000 years ago** // *Nature* (2019) https://doi.org/10.1038/s41586-019-1863-2 Файл

Yang Melinda A., Xing Gao, Christoph Theunert, Haowen Tong, Ayinuer Aximu-Petri, Birgit Nickel, Montgomery Slatkin, Matthias Meyer, Svante Paabo, Janet Kelso, and Qiaomei Fu. **40,000-Year-Old Individual from Asia Provides Insight into Early Population Structure in Eurasia** // Current Biology. 2017. 27, 1–7. https://doi.org/10.1016/j.cub.2017.09.030 Файл

Yu H., Spyrou M., Karapetian M. et al. **Paleolithic to Bronze Age Siberians Reveal Connections with First Americans and across Eurasia** // Cell 181, 1–14, June 11, 2020 https://doi.org/10.1016/j.cell.2020.04.037 Файл

Агджоян А.Т., Схаляхо Р.А., Утевская О.М., Жабагин М.К., Тагирли Ш.Г., Дамба Л.Д. Атраментова Л.А, Балановский О.П. **Генофонд крымских татар в сравнении с тюркоязычными народами Евразии(презентация готовящейся статьи).** // Файл

Агджоян А.Т, Балановская Е.В., Падюкова А.Д. и др. **Генофонд сибирских татар: пять субэтносов – пять путей этногенеза** // Молекулярная биология, 2016, т.50, № 6, с. 978-991. Файл

Агджоян А.Т., Богунов Ю.В., Богунова А.А., Каменщикова Е.Н., Запорожченко В.В., Пылёв В.Ю., Короткова Н.А., Утриван С.А., Схяляхо Р.А., Кошель С.М., Балановский О.П., Балановская Е.В. **Мозаика генофонда эвенков: забайкальский и амурский сегменты** // Вестник Московского университета. Серия XXIII. Антропология. 2019. № 3. С. 67-76 Файл

Агджоян А.Т., Качанов Н.В., Юсупов Ю.М., Макмак Н.И., Мустафаева Л.А., Атраментова Л.А., Балановская Е.В. Генетическая летопись Крымского полуострова по данным о генофонде караимов, крымских татар и греков // Вестник антропологии. 2017. Т. 39. №3. С. 91-97 Файл

Агджоян А.Т., Дараган Д.М., Схаляхо Р.А., Реутов П.П., Кагазежева Ж.А., Фрейдин Г.С., Балановский О.П., Балановская Е.В. Возможность сохранения генофонда в диаспоре на примере тверских карел // Генетика. 2018**.** Т. 54. Приложение. с. S91–S94. DOI: 10.1134/S0016675818130027. Файл

Агджоян А.Т., Богунова А.А., Каменщикова Е.Н., Запорожченко В.В., Богунов Ю.В., Балановский О.П., Балановская Е.В. Генетический портрет чукчей Камчатки (по развернутой панели маркеров Y-хромосомы) // Вестник Московского университета. Серия XXIII. Антропология. 2021. № 1. С. 80-92. DOI: 10.32521/2074-8132.2021.1.080-092. Файл

Алексеева Т.И., Балановская Е.В., Балахонова Е.И. и др. Рецидивы шовинизма и расовой нетерпимости. Письмо в редакцию // Природа, 2003, №6, http://vivovoco.astronet.ru/VV/JOURNAL/NATURE/06_03/PISMO.HTM

Бакиева Г.Т. , Квашнин Ю.Н. **Поволжские татары в Западной Сибири: особенности расселения и этнокультурного развития** // Вестник археологии, антропологии и этнографии. 2013. №3 (22) Файл

Бакиева Г.Т. , КвашнинЮ.Н. **Тюрки, самодийцы и угры в Тобольском Прииртышье (к вопросу об этногенезе заболотных татар)** // Больше чем этнограф. Сборник научных статей, посвященных памяти профессора В.В. Пименова. Изд-во МГУ, 2015. с. 181-190 Файл

Балаганская О.А., Балановская Е.В., Лавряшина М.Б., Исакова Ж.Т., Сабитов Ж.М., Фролова С.А., Романов А.Г., Дибирова Х.Д., Кузнецова М.А., Захарова Т.А., Урасин В.М., Балаганский А.Г., Питчаппан Р., Баранова Е.Г., Балановский О.П. **Полиморфизм Y хромосомы у тюркоязычного населения Алтае-Саян, Тянь-Шаня и Памира в контексте взаимодействия генофондов Западной и Восточной Евразии.** // Медицинская генетика. 2011. Т10. №3. С. 12-22. Файл

Балаганская О.А., Лавряшина М.Б., Кузнецова М.А., Романов А.Г., Дибирова Х.Д. Фролова, С.А., Кузнецова А.А., Захарова Т.А., Баранова Е.Е., Теучеж И.Э., Ромашкина М.В., Сабитов Ж., Тажигулова И., Нимадава П., Балановская Е.В., Балановский О.П. **Генетическая структура по маркерам Y хромосомы народов Алтая (России, Казахстана, Монголии).** // Вестник Московского университета. Серия XXIII «Антропология». 2011. №2. С. 25-39. Файл

Балановская Е.В., Агджоян А.Т., Жабагин М.К. и др. **Татары Евразии: своеобразие генофондов крымских, поволжских и сибирских татар** // Вестник Московского университета. Серия XXIII «Антропология». 2016. № 2, с. 75-85. Файл

Балановская Е.В., Соловьева Д.С., Балановский О.П., Чурносов М.И., Сорокина И.Н., Евсеева И.В., Аболмасов Н.Н., Почешхова

Э.А., Серегин Ю.А., Пшеничнов А.С. **«Фамильные портреты» пяти русских регионов. //** Медицинская генетика, 2005, № 1, с. 2-10. Файл

Балановская Е.В., Романов А.Г., Балановский О.П. **Однофамильцы или родственники? Подходы к изучению связи между гаплогруппами Y-хромосомы и фамилиями. //** Молекулярная Биология. 2011. Т.45. №3. С. 1-13. Файл

Балановская Е.В., Пежемский Д.В., Романов А.Г., Баранова Е.Е., Ромашкина М.В., Агджоян А.Т., Балаганский А.Г., Евсеева И.В., Виллемс Р., Балановский О.П. **Генофонд Русского Севера: славяне? Финны? Палеоевропейцы? //** Вестник Московского Университета. Серия XXIII «Антропология». 2011. №3. С. 27-58. Файл

Балановская Е. В., Жабагин М. К., Агджоян А. Т., Чухряева М. И., Маркина Н. В., Балаганская О. А., Схаляхо Р. А., Юсупов Ю. М., Утевская О. М., Богунов Ю. В., Асылгужин Р. Р. Долинина, Д. О., Кагазежева Ж. А., Дамба Л. Д., Запорожченко В.В., Романов А.Г., Дибирова Х. Д., Кузнецова М. А., Лавряшина М. Б., Почешхова Э. А., Балановский О. П. **Популяционные биобанки: принципы организации и перспективы применения в геногеографии и персонализированной медицине //** Генетика. – 2016. – № 12. – С. 1371–1387. Файл

Балановская Е.В., Агджоян А.Т., Схаляхо Р.А., Балаганская О.А., Фрейдин Г.С., Черневский Д.К., Черневский К.Г., Степанов Г.Д., Кагазежева Ж.А., Запорожченко В.В., Маркина Н.В., Козлов С.А., Палипана С.Д., Балановский О.П. **Генофонд новгородцев: между севером и югом //** Генетика. 2017. Т. 53. №11. с. 1338–1348. Файл

Балановская Е.В., Богунов Ю.В., Каменщикова Е.Н., Балаганская О.А., Агджоян А.Т., Богунова А.А., Схаляхо Р.А., Альборова И.Э., Жабагин М.К., Кошель С.М., Дараган Д.М., Борисова Е.Б., Галахова А.А., Мальцева О.В., Мустафин Х.Х., Янковский Н.К., Балановский О.П. **Демографический и генетический портреты ульчей //** Генетика. Т.54. №10. С.1218-1227 DOI: 10.1134/S0016675818100041 Balanovskaya_2018_Ulchi

Балановская Е.В., Юсупов Ю.М., Схаляхо Р.А., Степанов Г.Д., Асылгужин Р.Р., Жабагин М.К., Балаганская О.А, Султанова Г.Д., Борисова Е.Б., Дараган Д.М., Балановский О.П. **Генетические портреты семи кланов северо-западных башкир: вклад финно-угорского компонента в генофонд башкир //** Вестник Московского университета. Серия XXIII. Антропология. – 2017. – № 3.- С. 94–103.

Балановская Е. В. , Схаляхо Р. А. , Кагазежева Ж. А., Запорожченко В. В. , Урасин В. М., Агджоян А. Т. , Кошель С. М., Почешхова Э. А. , Балановский О. П. **Реконструкция генофонда убыхов Северного Кавказа //** Генетика. 2019. Т.55. №12. С. 1451–1460. DOI**:** 10.1134/S0016675819090030 Файл

Балановская Е.В., Богунов Ю.В., Богунова А.А., Каменщикова Е.Н., Чернышенко Д.Н., Пылёв В.Ю., Балановский О.П., Лавряшина М.Б. **Демографическая ситуация в чукотских селениях севера Камчатки //** Вестник Московского университета. Серия XXIII. Антропология. 2020. № 1. С. 87-97. DOI: 10.32521/2074-8132.2020.1.087-097. Файл

Балановская Е.В., Агджоян А.Т., Богунов Ю.В., Богунова А.А., Каменщикова Е.Н., Кагазежева Ж.А., Чернышенко Д.Н., Пылёв В.Ю., Жабагин М.К., Балановский О.П. **Генетические переплетения тунгусоязычных народов Дальнего Востока: эвены, эвенки, нанайцы //** Вестник Московского университета. Серия XXIII Антропология, 2020, N 2, С.113-125. DOI: 10.32521/2074-8132.2020.2.113-125 Файл

Балановская Е. В., Горин И. О., Кошель С. М., Балановский О. П. **Геногеографический атлас ДНК-маркеров, контролирующих цвет глаз и волос человека //** Генетика, 2021, Т. 57, № 12, С. 1356–1375, DOI: 10.31857/S0016675821120031 Файл

Балановская Е.В., Черневский Д.К., Балановский О.П. **Своеобразие Новгородского генофонда в контексте народонаселения европейской части России //** Вестник Новгородского государственного университета. Сер.: Медицинские науки. 2021. № 3. С. 51-57. DOI: 10.34680/2076-8052.2021.3(124).51-57. Файл

Балановская *Е. В.,* Горин *И. О.,* Петрушенко *В. С., Пономарёв Г. Ю. , Белов Р. О.,* Почешхова *Э. А., Салаев В. А., Искандаров Н. А.,* Пылёв *В. Ю.* **Роль кавказского, иранского и степного населения в формировании многообразия аутосомного генофонда Восточного Кавказа //** Вестник РГМУ. 2023. №3. DOI: 10.24075/vrgmu.2023.017

Текст статьи в свободном доступе

Балановский О.П. **Восток Европы в свете современной генетики //** Человек в культурной и природной среде: труды Третьих антропологических чтений к 75-летию со дня рождения академика В.П. Алексеева, М.: Наука, 2007, с. 267-274, на рус. яз.

Балановский О.П. **Генофонд высоких широт Евразии или откуда пришли саамы? //** Путь на север: окружающая среда и

самые ранние обитатели Арктики и Субарктики (материалы международной конференции). Под ред. А.А. Величко, С.А. Васильева. М.: Институт географии РАН, 2008. с.277-282, на рус. яз. Файл

Балановский О.П., Тегако О.В. **Генофонд белорусов по данным о трех типах генетических маркеров: аутосомных, митохондриальных, Y-хромосомы. //** Актуальные вопросы антропологии. Минск. 2008. Т. 2. С. 53-65. Файл

Балановский О.П., Пшеничнов А.С., Фролова С.А., Васинская О.А., Дибирова Х.Д., Кузнецова М.А., Кошель С.М., Запорожченко В., Чурносов М.И., Атраментова Л.А., Утевская О., Тегако О.В., Почешхова Э.А., Микулич А.И., Виллемс Р., Балановская Е.В. **Основные черты митохондриального генофонда восточных славян. //** Мед.генетика. 2010. Т9. №1. С 29-37. Файл

Балановский О.П., Кошель С.М., Запорожченко В.В., Пшеничнов А.С., Фролова С.А., Кузнецова М.А., Баранова Е.Е., Теучеж И.Э., Кузнецова А.А., Ромашкина М.В., Утевская О.М., Чурносов М.И., Виллемс Р., Балановская Е.В. **Эколого-генетический мониторинг в популяциях человека: гетерозиготность, гаплотипическое разнообразие мтДНК и генетический груз. //** Генетика. 2011. Т. 47. No.11. С. 1523–1535. Файл

Балановский О.П., Дибирова Х.Д., Романов А.Г., Утевская О.М., Шанько А.В., Баранова Е.Г., Почешхова Э.А. **Взаимодействие генофондов народов Кавказа и восточных славян по данным о полиморфизме Y хромосомы. //** Вестник Московского университета. Серия XXIII. «Антропология». 2011. №1. С. 69-75. Файл

Балановский О.П., Запорожченко В.В. **Хромосома-летописец: датировки генетики, события истории, соблазн ДНК-генеалогии //** Генетика. 2016, том 52, № 7, с. 810–830 Файл

Дамба Л.Д., Балановская Е.В., Жабагин М.К., Юсупов Ю.М., Богунов Ю.В., Сабитов Ж.М., Агджоян А.Т., Короткова Н.А., Лавряшина М.Б., Монгуш Б.Б., Кавай-оол У.Н., Балановский О.П. **Оценка вклада монгольской экспансии в генофонд тувинцев //** Вавиловский журнал генетики и селекции. 2018. 22(5):611-619
DOI 10.18699/VJ18.402 Файл Вестник ВОГиС

Дамба Л.Д., Айыжы Е.В., Монгуш Б.Б., Жабагин М.К., Юсупов Ю.М., Сабитов Ж.М., Агджоян А.Т., Маркина Н.В., Доржу Ч.М., Балановская Е.В., Балановский О.П. **Комплексный подход в изучении родовой структуры тувинцев республики Тыва на примере родов монгуш и ооржак //** Вестник Тувинского государственного университета. №2 Естественные и сельскохозяйственные науки. 2018. Т.37. №2. С. 37-44 Файл
kompleksnyy_podhod_v_izuchenii_rodovoy_struktury_tuvincev_respubliki_tyva_na_primere_rodov_mongush_i_oorzhak

Жабагин М.К., Балановский О.П., Сабитов Ж.М., Темиргалиев А.З., Агджоян А.Т., Кошель С.М., Раманкулов Е.М., Балановская Е.В. **Реконструкция структуры генофонда казахов по данным об их родорасселении //** Вавиловский журнал генетики и селекции. 2018. Т.22. №7. С. 895-904 DOI 10.18699/VJ18.431 Файл КАЗАХСКИЕ РОДА В ВОГиС-2018(1)

Клейн Л.С. **Была ли гаплогруппа R1a1 арийской и славянской?. //** Этногенез и археология, т. 1, статья III, 9. СПб, Евразия, 2013. С. 385-396. Файл

Клейн Л.С. **Гаплогруппы, норманны и рюриковичи. //** Археологические вести. 2015. № 21. С. 410-415. Файл

Лавряшина М.Б., Ульянова М.В., Балановская Е.В. **Влияние генетико-демографических процессов на структуру сельских популяций коренного населения Южной Сибири: три неперекрывающихся поколения по данным о демографии и распространении фамилий. //** Медицинская генетика. 2010. Т9. №4. С 16-24. Файл

Лавряшина М.Б., Ульянова М.В., Балаганская О.А., Романов А.Г., Балановская Е.В. **Шорцы: сходство и различие территориальных групп по данным фонда фамилий и аутосомных ДНК маркеров. //** Вестник Московского университета. Серия XXIII. «Антропология». 2011. №2. С. 66-77. Файл

Лавряшина М.Б., Ульянова М.В., Балаганская О.А., Балаганский А.Г., Балановская Е.В. Генетический портрет десяти малых народов Южной Сибири. Сообщение III. **Генетические соотношения и положение среди народов Северной Азии по данным об аутосомных ДНК маркерах. //** Медицинская генетика. 2011. № 8. С. 26-32. Файл

Почешхова Э.А. **Генофонд народов Западного Кавказа среди регионов Евразии (по данным о диаллельных ДНК маркерах). //** Медицинская генетика, 2007, Т.6, № 9, с. 16-22. Файл

Почешхова Э.А., Балановская Е.В., Серегин Ю.А., Голубцов В.И., Балановский О.П. **Динамика генофонда во времени по данным о фамилиях и родословных. //** Медицинская генетика. 2008. Т.7. №8. С.25-29. Файл

Почешхова Э.А. **Оценка межэтнических различий народов Западного Кавказа (по мультиаллельным аутосомным**

ДНК-маркерам). // Медицинская генетика. 2008. Т.7. № 2. С.3-9. Файл

Почешхова Э.А. **Структура миграций и дрейф генов в популяциях адыгов-шапсугов.** // Медицинская генетика. 2008. Т.7. № 1. С.30-38. Файл

Почешхова Э.А. **География фамилий и генетических расстояний (адыги Западного Кавказа).** // Медицинская генетика. 2008. Т.7. № 1. С.21-29. Файл

Почешхова Э.А. **Сравнение региональной изменчивости Евразии по ДНК и классическим маркерам.** // Медицинская генетика. 2008. Т.7. № 3. С.41-48. Файл

Почешхова Э.А. **Структура подразделенного генофонда адыгейцев по данным о двух классах аутосомных ДНК маркерах (диаллельных и мультиаллельных).** // Медицинская генетика, 2008. Т.7, № 7. с.3-12. Файл

Семененко А.А. **Предварительные данные об антропологических и археологических следах миграции индоевропейцев из Южной Азии через степную зону в Юго–Восточную Европу.** Файл

Соловьева Д.С., Балановская Е.В., Кузнецова М.А., Васинская О.А., Фролова С.А., Почешхова Э.А., Евсеева И.В., Болдырева М.Н., Балановский О.П. **Русский генофонд: геногеография Alu-инсерций (ACE, APOA1, B65, PV92, TPA25).** // Молекулярная биология. 2010. Т44. №3. С 447-455. Файл

Степанов В.А., Балановский О.П., Мельников А.В., Лаш-Завада А.Ю., Харьков В.Н., Тяжелова Т.В., Ахметова В.Л., Жукова О.В., Шнейдер Ю.В., Шильникова И.Н., Боринская С.А., Марусин А.В., Спиридонова М.Г., Симонова К.В., Хитринская И.Ю., Раджабов М.О., Романов А.Г., Штыгашева О.В., Кошель С.М., Балановская Е.В., Рыбакова А.В., Хуснутдинова Э.К., Пузырев В.П., Янковский Н.К. **Характеристика популяций Российской Федерации по панели пятнадцати локусов, используемых для ДНК-идентификации и в судебно-медицинской экспертизе.** // Acta Naturae. 2011. Т3. №2(9). С. 59-71. Файл

Схаляхо Р.А.,Почешхова Э.А.,Теучеж И.Э., Дибирова Х.Д., Агджоян А.Т., Утевская О.М.,Юсупов Ю.М., Дамба Л.Д., Исакова Ж.Т., Момыналиев К.Т., Тагирли Ш.Г., Кузнецова М.А., Коньков А.С., Фролова С.А., Балановская Е.В., Балановский О.П. **Тюрки Кавказа сравнительный анализ генофондов по данным о Y-хромосоме.** // Вестник МГУ. 2013. № 2. С. 34–48. Файл

Схаляхо Р.А. , Жабагин М.К., Юсупов Ю.М. и др. **Генофонд туркмен Каракалпакстана в контексте популяций Центральной Азии (полиморфизм Y-хромосомы)** // Вестник Московского университета. Серия XXIII, АНТРОПОЛОГИЯ. № 3. с. 86–96. Файл

Теучеж И.Э., Почешхова Э.А., Схаляхо Р.А., Дибирова Х.Д., Агджоян А.Т., Утевская О.М., Кузнецова М.А., Богунов Ю.В., Шанько А.В., Коньков А.С., Чикованни Н.Н., Епископосян Л.М., Балановская Е.В., Балановский О.П. **Генофонды абхазо-адыгских народов, грузин и армян в евразийском контексте.** // Вестник МГУ. 2013. N2. С. 49-62. Файл

Ульянова М.В., Кучер А.Н., Лавряшина М.Б. **Генетико-демографическое изучение шорцев Таштагольского района Кемеровской области: динамика брачно-миграционной структуры.** // Генетика. 2011. Т.47. № 1. С. 133-139. Файл

Утевская О.М., Чухряева М.И., Схаляхо Р.А., Дибирова Х.Д., Теучеж И.Э., Агджоян А.Т., Артаментова Л.А., Балановская Е.В., Балановский О.П. Происхождение основных групп казачества по данным о полиморфизме Y-хромосомы // Вестник Одесского национального университета. 2015. Т.20. вып. 2(37). Файл

Харьков В.Н., Степанов В.А., Медведева О.Ф., Спиридонова М.Г., Воевода М.И., Тадинова В.Н., Пузырев В.П. **Различия структуры генофондов северных и южных алтайцев по гаплогруппам Y-хромосомы.** // Генетика. 05/2007. Том 43 N5. С.675-687 . Файл

Чурносов М.И., Балановская Е.В., Сорокина И.Н., Лепендина И.Н., Цапкова Л.А., Аристова И.К., Песик В.Ю., Рудых Н.А., Жерлицына М.С., Ващилин В.С., Калмыкова Е.В., Некипелова Е.В. **Использование различных типов генетических маркеров для описания структуры населения.** // Вестник новых медицинских технологий. Тула. 2006. Файл

Чухряева М.И., Павлова Е.С., Напольских В.В. и др. **Сохранились ли следы финно-угорского влияния в генофонде русского населения Ярославской области? Свидетельства Y-хромосомы** //Генетика. 2017, том 53, № 3, с. 1–12. Файл

Электронное приложение к будущей статье авторов коллектива «Разнообразие региональных русских популяций по STR-маркерам, используемым при ДНК-идентификации». // Файл

Юсупов Ю.М., *Балановская Е.В.,Сабитов Ж.М., Балановский О.П.* **Комплексные исследования этногенеза: союз геногеографии и этнологии //** Вестник антропологии. 2017. Т.38. №2. С. 28-35. Файл

Юсупов Ю.М., Балановская Е.В., Жабагин М.К., Асылгужин Р.Р., Султанова Г.Д., Сабитов Ж.М., Богунов Ю.В., Кагазежева Ж.А., Маркина Н.В., Агджоян А.Т., Балановский О.П. **Генофонд юго-западных башкир по маркерам Y-хромосомы: опыт междисциплинарного анализа //** Генетика 2018. Т.54. Приложение. с. S95–S98. DOI: 10.1134/S0016675818130222 GenRus1813022YusupovKOR

Юсупов Ю.М., Схаляхо, Р.А., Агджоян А.Т., Асылгужин Р.Р., Олькова М.В., Султанова Г.Д., Жабагин М.К., Кошель С.М., Балановский О.П., Балановская Е.В. **Анализ генофонда юго-восточных башкир в контексте их родовой структуры (по данным о полиморфизме Y-хромосомы) //** Вестник Московского университета. Серия XXIII Антропология. 2019. №4. С.54-66. DOI: 10.32521/2074-8132.2019.4.054-066 Файл