

О генофонде уралоязычных популяций

[Олег Балановский](#)

Это третья из цикла совместных статей Эстонского биоцентра и российских ученых. Первая была посвящена тюркоязычным народам, вторая – балто-славянским и эта третья статья – уралоязычным. Во всех случаях было показано, что основную роль в формировании генофонда играет географический фактор, а лингвистическое родство отходит на второй план. В то же время, при тонком анализе с помощью IBD-сегментов для тюрков и для уралоязычных популяций удалось выявить общий компонент в их генофонде – пусть маленькую, но реальную долю общего компонента, который можно связывать с людьми, посредством которых распространялись эти языки, — а для славян IBD-сигнал оказался слишком слабым, чтобы делать такой вывод.

Но и для уралоязычных народов эта статья отвечает не на все вопросы, оставляя неразрешенной тысячелетнюю интригу – происхождение венгров, которые исторически и лингвистически являются потомками мадяров — родственниками угров, завоевавших в IX веке территорию нынешней Венгрии. Но генетически современные венгры неотличимы от своих географических соседей и не проявляют сходства с остальными уграми (хантами и манси). Даже анализ IBD не выявил у них общего компонента. Возможно, генетический след угорского происхождения венгров удастся проследить с помощью древней ДНК – такие работы уже ведутся несколькими научными коллективами.