

Обнаруженные варианты распространены на обширной территории и только в трех из 127 обследованных популяций представлены недостаточно. Только один вариант ограничивался в распространении пределами Корейского полуострова (DC4). А еще один из вариантов (DC2) был обнаружен в базе ДНК древних образцов – в останках, найденных на курганах Сибири. Три варианта (DC7, DC9, DC13) — это производные от DC5. В итоге оказалось, что 37,5% обследованных мужчин являются потомками 11 отцов-основателей, которые жили в Азии в период между 2100 лет до н.э и 1100 лет н. э. Обобщенная характеристика этих 11 кластеров представлена в на рисунке.



Схематическое представление особенностей обнаруженных кластеров.

Интересно, что шесть кластеров (DC2, DC5, DC6, DC11, DC12, DC14) по возрасту относятся к протоисторической эпохе 2100-300 лет. до н.э. и связаны непосредственно с развитием земледелия в бронзовом веке, а три кластера (DC1, DC8, DC10) относятся к современному историческому периоду 700-1300 лет н.э.

В первую группу кластеров вошло 30%, во вторую группу — 70% исследованных индивидов, относящихся к потомкам репродуктивно успешных мужчин. При этом прародиной первой группы можно считать Юго-Восточную Азию, включая Лаос (DC12, DC14), Тибет и Восточную Индию (DC6, DC11), а также земли Плодородного полумесяца на Ближнем Востоке и Среднюю Азию (DC2, DC5).

Население, отнесенное ко второй группе, является потомками носителей алтайских языков и кочевников, которые перемещались вдоль всего Шелкового пути. Сигналы экспансии этих вариантов Y-хромосомы прослеживаются от востока (Монголии) до запада (Каспия). Два кластера — DC1 и DC8 — исследователи с большей вероятностью отождествляют с историческими личностями Темучином (Чингисханом) и Гиочангом соответственно, подтверждая ранние исследования Криса Тайлера-Смита. Возраст третьего нового кластера DC10 приходится на рубеж IX-X веков. Наиболее вероятной кандидатурой ученые называют киданя Абаоци, основателя Ляо (умер в 926 году).

Еще один особый кластер, выявленный авторами статьи, DC3 представлен потомками одного мужчины, распространившимися на огромной территории — от Леванта до Южной Индии. Возможно, этот вариант Y-хромосомы был связан с экспансией ислама из Ближнего Востока, через Центральную Азию к границам Китая и Индии, связанного с образованием единого государства на Аравийском полуострове пророком Мухаммедом в VII веке и последующим усилением Халифата.

Молодые родословные кластеры в основном были найдены в кочевых популяциях Азии, где фактор социального статуса мужчины у власти, его мобильность и распространенная традиция многоженства сыграли ключевую роль в распространении отдельных Y-хромосом.

Как подчеркивают авторы, их целью не являлось с бесспорной точностью указать на исторические фигуры, связанных с

обнаруженными сигналами репродуктивно успешных линий Y-хромосомы. Ответ на этот вопрос требует отдельных дополнительных исследований прямых потомков, либо останков на анализ соответствия их ДНК профилей с гаплотипами обнаруженных в данной работе.

Источник:

Patricia Balaesque, Nicolas Poulet, Sylvain Cussat-Blanc, Patrice Gerard, Lluis Quintana-Murci, Evelyne Heyer and Mark A Jobling. Y-chromosome descent clusters and male differential reproductive success: young lineage expansions dominate Asian pastoral nomadic populations. // European Journal of Human Genetics, (14 January 2015) | doi:10.1038/ejhg.2014.285

<http://www.nature.com/ejhg/journal/vaop/ncurrent/abs/ejhg2014285a.html>