О популяционной истории Юго-Восточной Азии

Древние геномы из Китая продемонстрировали сложную динамику популяций Юго-Восточной Азии. Обнаружены три различных генетических компонента, существовавшие, по меньшей мере 11 тысяч лет назад, и смешение между ними; это характеризовало генетический ландшафт региона до появления земледелия около четырех тысяч лет назад.

Китайские палеогенетики секвенировали геномы 31 индивида из южного Китая (провинции Гуанси и Фудзянь), среди них два с датировками 12 000 и 10 000 лет назад, на сегодняшний день самые древние геномы из Юго-Восточной Азии. Результаты работы представлены в статье в журнале Cell .

Предыдущие исследования показали, что охотники-собиратели культуры Хоа-Бинь (8000-4000 лет назад) происходили от очень древних азиатских популяций. Первые земледельцы Юго-Восточной Азии, появившиеся 4000 лет назад, имели смешанное происхождение и были родственны охотникам-собирателям Хоа-Бинь. С другой стороны, они связаны родством с современным популяциям южного Китая.

В составе предков индивида из Гуанси (11 000 лет назад) авторы данной работы нашли три источника. Они сделали вывод, что в то время, по меньшей мере, три генетически различных компонента составляли популяционный ландшафт Юго-Восточной Азии: эти компоненты представляли популяции Фудзянь, Хоа-Бинь и Гуанси. Другие древние геномы из Гуанси (9000 и 6000 лет назад) также демонстрируют генетическое смешение. Это смешение локального компонента Гуанси, южного компонента, ранее найденного у Фудзянь и древнего азиатского компонента, родственного охотникам-собирателям Хоа-Бинь. Таким образом, популяции южного Китая до появления земледелия представляли собой масштабное генетическое смешение.

Полученные результаты, пишут авторы, показывают интенсивное взаимодействие между различными генетическими компонентами на перекрестке Восточной и Юго-Восточной Азии. Более поздние популяции провинции Гуанси (1500 – 500 лет назад) были генетически близки к современным носителям тай-кадайских и хмонг-мьен языков.

Эта работа генетически связывает регионы Восточной и Юго-Восточной Азии, обнаруживая новые генетические компоненты, отличные от тех, что ранее были найдены в прибрежных областях. Выяснение неизвестных деталей популяционной истории поможет понять, как складывался генетический ландшафт современного южного Китая.

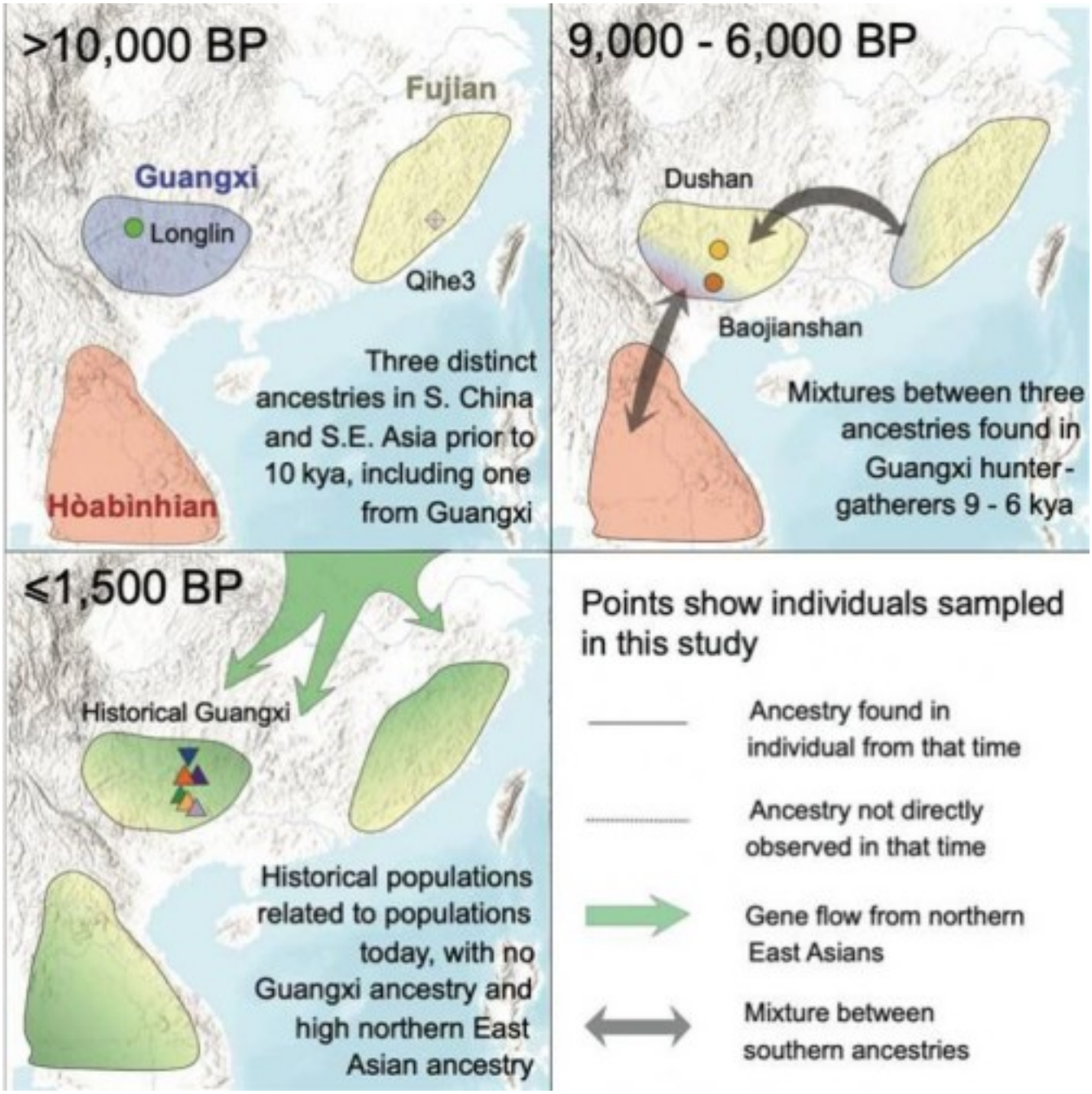

Схема популяционной динамики на перекрестке Восточной и Юго-Восточной Азии, начиная с 11 тысяч лет назад. >10 000 лет назад – три различных генетических компонента в регионе; 9000 – 6000 лет назад – смешение между генетическими компонентами, которое выявляется у охотников-собирателей Гуанси; < 1500 лет назад – более поздние миграции с севера Восточной Азии.

Источник:

Tianyi Wang, Wei Wang, Guangmao Xie et al. Human population history at the crossroads of East and Southeast Asia since 11,000 years ago // Cell, Volume 184, Issue 14, 8 July 2021, Pages 3829-3841.e21

https://doi.org/10.1016/j.cell.2021.05.018