Центральная Азия как зона генетического смешения

Центральная Азия — зона смешения восточного и западного генетических потоков; аллели светлой кожи в европейских и азиатских популяциях возникли разными путями. Таковы основные выводы новой статьи с исследованием мтДНК и некоторых генов в популяциях Центральной и Западной Азии.

В новой статье, опубликованной на сайте препринтов (статья принята в журнал PLoS ONE), исследована популяционная история населения Центральной и Западной Азии по митохондриальной ДНК. У 746 человек из Центральной и Западной Азии проанализирован гипервариабельный участок мтДНК (HVR1). Всего в анализе были задействованы генетические данные от почти 59 тыс. человек из 40 популяций по всей Евразии. Кроме мтДНК авторы исследовали распределение аллелей двух генов: гена меланокортинового рецептора 1 типа (MC1R), связанного с пигментацией кожи и волос, и гена CCR5, мутация которого вызывает устойчивость к ВИЧ. В работе делается вывод, что генетически Центральная Азия сочетает черты Восточной и Западной Евразии, и вероятно, была местом смешения восточного и западного генетических потоков. Что касается пигментации, то распределение аллелей гена MC1R указывает на независимую (конвергентную) его эволюцию в Западной и Восточной Евразии. Это означает, что европейцы и жители Восточной Азии приобрели осветление кожи разными путями.

Источник:

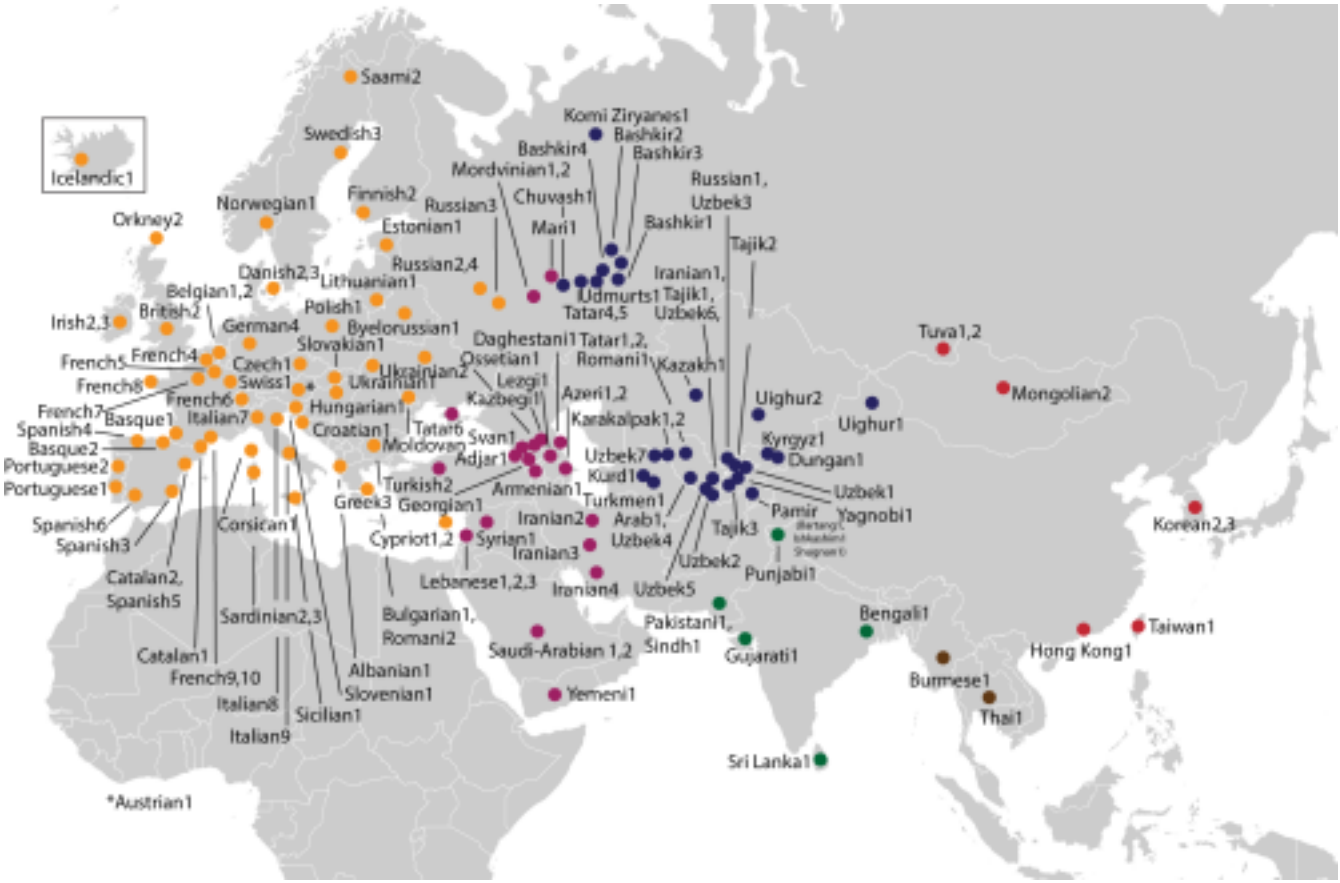
Genetic patterning in Central Eurasia: population history and pigmentation

Ellen C. R□yrvik et al.

Текст статьи можно скачать здесь:

255117.full

Популярный обзор статьи от Александра Соколова можно прочитать на сайте «XX2 век».



Популяции, генетические данные из которых использовались в работе.